

МИНИСТЕРСТВО СЕЛЬСКОГО ХОЗЯЙСТВА РФ

**ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ
ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ
«БРЯНСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ АГРАРНЫЙ УНИВЕРСИТЕТ»**

ИНСТИТУТ ВЕТЕРИНАРНОЙ МЕДИЦИНЫ И БИОТЕХНОЛОГИИ

Кафедра кормления животных и частной зоотехнии

Е.В. ОВСЕЕНКО, Н.П. БАЗУТКО

ВЕТЕРИНАРНАЯ ГЕНЕТИКА

УЧЕБНО - МЕТОДИЧЕСКОЕ ПОСОБИЕ

**ДЛЯ СТУДЕНТОВ, ОБУЧАЮЩИХСЯ ПО СПЕЦИАЛЬНОСТИ
36.05.01 - «Ветеринария»**

БРЯНСК 2015

УДК 619:636.082.12 (07)
ББК 45.3
О 34

Овсеенко, Е.В. Ветеринарная генетика: учебно-методическое пособие / Е.В. Овсеенко, Н.П. Базутко. – Брянск: Брянский ГАУ, 2015. – 67 с.

Учебно-методическое пособие предназначено для студентов 1 курса института ветеринарной медицины и биотехнологии по специальности 36.05.01 - «Ветеринария».

В учебном пособии изложены вопросы анализа биологических данных. В качестве основы использованы методы теории вероятности; закономерности развития признаков при половом размножении, взаимодействие неаллельных генов, наследование признаков, сцепленных с полом; молекулярные основы наследственности; наследование групп крови. Изложенный материал в учебном пособии позволяет студентам реализовать следующие компетенции: ОК-11, ОК-6, ПК-2.

Рецензент: доцент кафедры нормальной и патологической морфологии и физиологии животных Минченко В.Н.

Рекомендовано к изданию решением методической комиссии института ветеринарной медицины и биотехнологии от 01.10.2015 г., протокол №2.

© ФГБОУ ВО «Брянский ГАУ», 2015
© Овсеенко Е.В., 2015
© Базутко Н.П., 2015

ВВЕДЕНИЕ

Из года в год перед генетикой ставятся все более сложные и важные задачи. Она призвана решать многие проблемы охраны здоровья, технологии ряда производств, способствовать повышению материального благосостояния людей и профилактике заболеваний.

Знание основных классических положений общей генетики становится потребностью все большего круга специалистов разного профиля. Наблюдается все более тесная интеграция генетики, селекции, ветеринарии, биохимии и других наук. В результате интеграции генетики и ветеринарии возникла ветеринарная генетика.

Ветеринарная генетика – это раздел общей генетики, предметом изучения которого являются наследственные аномалии, болезни с наследственной предрасположенностью, разработка методов диагностики и профилактики генетических аномалий у животных, а также селекции животных на устойчивость к заразным болезням.

Настоящие методические указания призваны помочь студентам усвоить знания о материальных основах наследственности и изменчивости, способствовать развитию диалектического мышления, выработке самостоятельных навыков в проведении научного исследования и интерпретации генетических процессов. Решение задач должно способствовать прочному усвоению теоретического материала, приобретению практических навыков, необходимых в селекционной работе.

ТЕМА 1. ОСНОВЫ ВАРИАЦИОННОЙ СТАТИСТИКИ

Современный уровень развития любой науки связан с использованием в ней (в большей или меньшей мере) математики. Генетика является не описательной, а точной наукой, изучающей наследственность и изменчивость организмов. Эти фундаментальные свойства организмов проявляются в количественных закономерностях наследования признаков и свойств, как у отдельных индивидов, так и у их совокупностей.

БИОМЕТРИЯ (от греч. *bios*- жизнь, *metron* – мера) – наука о применении математических методов в биологических исследованиях при изучении групповых свойств биологических объектов.

Содержанием биометрии является обработка данных наблюдений и экспериментов в биологических исследованиях.

Методы биометрии основаны на теории вероятности и законе больших чисел. Они позволяют дать математически точные характеристики свойств и признаков совокупностей, выявить степень генетического разнообразия признака и влияния на него различных факторов, прогнозировать эффект селекции.

Предмет биометрии (т.е. то, что она изучает) составляют те или иные варьирующие по величине (изменяющиеся в определенных пределах) признаки или свойства объектов совокупности.

Совокупностью в биометрии называют группу биологических объектов. Совокупностями являются породы, стада животных, линии, семейства, дочери определенного производителя, группа овец, на которых проводится опыт, количество эритроцитов в каком-то объеме крови животного и т.д.

Совокупность состоит из единиц или членов. Для стада овец единицей будет каждая овца. Число единиц, входящее в совокупность обозначается буквой *n*. Единица совокупности может характеризоваться определенными признаками. Например, коровы характеризуются удоями за некоторый отрезок времени, жирномолочностью и белкомолочностью, живой массой, промерами, мастью, рогатостью или комолостью, числом эритроцитов и т. д. Сумма отдельных измерений или наблюдений также является совокупностью.

Величину изучаемого признака для какой-то единицы совокупности называют вариантой и обозначают $X_1; X_2; X_3...$. Например, при изучении удоя (ц) за третью лактацию у четырех коров получены следующие данные: 42, 40, 38, 45. Эти величины и будут вариантами, т.е. $X_1 = 42; X_2 = 40; X_3 = 38; X_4 = 45$.

Различия между отдельными вариантами называются изменчивостью или вариацией. В этих случаях говорят, что удои или признак «варьирует». Варьирование признака у особей однородной группы (т.е. особей одного вида, возраста, одной породы, находящихся в аналогичных условиях кормления и содержания) обусловлено, с одной стороны, различиями в их наследственности, а с другой – влиянием внешних и внутренних факторов.

Генеральная совокупность – группа объектов, которую нужно охарактеризовать исследователю (например, все коровы черно-пестрой или другой породы). Объем генеральной совокупности может быть как очень большим (50 тыс., 500 тыс. и более), так и очень малым.

Генеральная совокупность может быть представлена объектами, которых еще

нет фактически, но которые в принципе могут быть получены. Так, при оценке племенных качеств производителя генеральную совокупность образуют все его возможные потомки. В этом случае любое количество фактически полученных потомков производителя, использующихся для характеристики его племенной ценности, будет лишь часть генеральной совокупности.

Это относится и к большинству опытов по изучению степени влияния различных факторов на животных. Например, при изучении влияния на продуктивность или рост животных определенного рациона, генеральную совокупность образуют все животные, которые в принципе могли бы получать данный рацион. Группа животных, на которых проводят опыт, будет представлять лишь часть генеральной совокупности.

Из этих примеров видно, что генеральную совокупность, как правило, приходится характеризовать по части – по так называемой *выборке*

Выборочная совокупность (выборка) – это часть генеральной совокупности. Выборка является средством изучения и характеристики генеральной совокупности.

Выборка должна быть представительной – репрезентативной.

Выборка должна быть типичной, т.е. правильно отражать генеральную совокупность.

Каждый член выборки из генеральной совокупности должен быть отобран случайно. Для этого рекомендуется пронумеровать все объекты и отобрать некоторые из них по таблице случайных чисел (жеребьевка).

Существуют и другие способы отбора, обеспечивающие случайность, например механический - в выборку включается или каждый десятый, или каждый двадцатый объект и т. д.

Различают малую ($n < 20 \dots 30$) и большую выборочную совокупности ($n > 20 \dots 30$) Объем совокупности имеет значение при характеристике разнообразия признака и определении параметров генеральной совокупности по параметрам выборки. Кроме того, различия между малой и большой совокупностью сказываются в технике (приемах) расчета основных параметров совокупности, хотя наличие современных счетных машин фактически ликвидировало эту разницу.

Сельскохозяйственные животные обладают большим разнообразием морфологических, физиологических, хозяйственно-полезных признаков.

Все хозяйственно-полезные признаки животных подразделяют на качественные и количественные.

К качественным признакам животных относятся: пол (мужской и женский), масть черная и белая, тип шерсти (тонкая, грубая, полутонкая, полугрубая) , рогатость или комолость и т.д.

Количественные признаки изучают путем измерений, подсчетов и выражают цифрами, например, вес животных, удои, длина шерсти у овец, число сосков у свиней и др.

Качественные признаки четко отличаются друг от друга, и при расщеплении не вызывает трудностей группировка животных по признакам в те или иные фенотипические классы. Количественным же признакам невозможно дать точной качественной характеристики. По таким признакам между индивидами наблюдаются постепенные малозаметные переходы, а при расщеплении не образуются четко выделяе-

мые фенотипические классы. Изменчивость подобных признаков является непрерывной.

Например, в молочном скотоводстве удой коров за лактацию колеблется от 1000 до 10000 кг и выше, и в большой популяции в каждый фенотипический класс, включающий интервал 10 кг молока входит несколько животных. Таким образом, коров можно условно распределить более чем на 100 фенотипических классов, но ни один из них не будет отражать генотипического расщепления.

Непрерывная вариация количественного признака в популяции объясняется, прежде всего, действием многих генов, которые носят название полигены. Каждый из полигенов оказывает незначительное влияние на изменчивость количественного признака, про который можно сказать, что он характеризуется непрерывной изменчивостью и полигенным наследованием.

Современная селекция опирается в основном на оценку и отбор животных по количественным признакам, имеющим экономическое значение. Поэтому изучение закономерностей наследования таких признаков имеет исключительно важное значение при оценке племенных качеств животных.

Для характеристики популяции животных по количественным признакам невозможно использовать частоты генов и распределение генотипов.

На начальном этапе анализа количественных признаков рассчитывают общепринятые статистические (фенотипические) параметры : \bar{X} , σ

С помощью указанных статистических параметров с определенной точностью можно характеризовать родителей и потомков, полученных от прямых и возвратных скрещиваний.

Использование таких параметров при подборе животных для скрещивания позволило установить общие закономерности наследования количественных признаков.

При скрещивании животных заметно различающихся по уровню развития количественного признака, в первом поколении не проявляется доминирование признака одного из родителей, а во втором поколении не наблюдается закономерного расщепления на определенное число фенотипически разных классов.

В общем виде закономерности наследования количественных признаков можно свести к следующим положениям:

1. Средняя арифметическая признака у животного I поколения, как правило бывает промежуточной между средними арифметическими признака у родителей.

2. Между средними величинами признака у животных I и II поколений различия недостоверны. Однако фенотипическая изменчивость животных II поколения значительно выше, чем у животных F₁, что свидетельствует о расщеплении генотипов.

3. Кривые изменчивости признаков у животных, полученных от возвратных скрещиваний, сдвинуты ближе к кривым распределения тех родителей, с которыми было произведено скрещивание.

4. В основе наследственной передачи количественных признаков лежит тот же механизм расщепления и рекомбинации генов, что и при передаче качественных признаков.

К важнейшим генетическим методам, используемым в селекции скота, относятся:

- методы определения средних величин,
- методы определения разнообразия признаков,
- методы измерения связей между признаками,
- методы измерения соответствия выборочных данных параметрам генеральной совокупности,
- методы определения наследуемости и повторяемости признаков.

Определение указанных генетических показателей позволяет установить фактический уровень селекции и прогнозировать продуктивность животных.

1. РАСЧЕТ ОСНОВНЫХ СТАТИСТИЧЕСКИХ ПАРАМЕТРОВ

В БОЛЬШОЙ ВЫБОРОЧНОЙ СОВОКУПНОСТИ $\langle \bar{X}, \sigma, C_v, r, R \rangle$

Основные статистические параметры в больших выборочных совокупностях вычисляют по вариационному ряду.

1.1. ПОСТРОЕНИЕ ВАРИАЦИОННОГО РЯДА И ВАРИАЦИОННЫХ КРИВЫХ

Если имеется многочисленная группа особей, изучаемых по какому-нибудь признаку, то различные значения этого признака встречаются неодинаковое количество раз: одни чаще, другие реже. Это явление называется распределением признака.

При характеристике количественных признаков и большом числе вариант производят группировку данных и их разность по классам, т.е. строят вариационный ряд.

Вариационный ряд показывает реально существующее распределение особей в группе (совокупности) по величине признака.

Вариационный ряд – это двойной ряд чисел, один из которых указывает значение признака в классах, а другой – число животных (объектов) в классах.

Класс - это часть совокупности, в которой объединены все сходные по величине изучаемого признака объекты.

Вариационный ряд дает наглядное представление о том, как часто встречаются отдельные варианты в данной совокупности, в каком количестве и как они распределяются, т.е. показывает закономерность варьирования изучаемого признака.

ОБЩИЕ ПРАВИЛА ПОСТРОЕНИЯ ВАРИАЦИОННОГО РЯДА

Пример 1. Предположим, что мы собрали данные о суточных удоях 40 коров черно-пестрой породы, записанных в бонитировочную ведомость и получили следующие значения (в кг):

12,0	15,8	18,7	13,3	16,0	13,8	6,0	15,2
8,4	20,4	11,2	8,0	17,4	11,6	8,2	14,0
10,7	16,7	12,3	13,7	13,1	10,2	18,3	9,5
12,3	13,9	14,7	15,1	12,5	14,8	22,9	10,8
7,6	14,1	16,1	9,2	11,5	9,4	11,0	12,0

Для построения вариационного ряда необходимо:

1. Просмотрев весь материал найти максимальное и минимальное значение признака (суточного удоя коров) и тем самым определить значение \lim :

$$X \min = 6,0 \text{ и } X \max = 22,9 ;$$

$$\lim = 6,0 \div 22,9 \text{ кг.}$$

2. Определить размах разнообразия признака:

$$\rho = X \max - X \min = 22,9 - 6,0 = 16,9 \text{ кг.}$$

3. Определить число классов.

Число классов зависит от количества особей в выборке.

Объем выборки (n)	Рекомендованное число классов
30-60	6-8
61-100	7-10
101-200	9-12
201-500	12-17

Чем больше число классов, на которые разбит вариационный ряд, тем выше будет точность вычисленных с его помощью параметров.

В данном примере совокупность разбиваем на 6 классов.

4. Определить интервал между соседними классами (классовый промежуток), который обозначается буквой К.

$$K = \frac{X \max - X \min}{\text{Число классов}}$$

Классовый промежуток - это величина, на которую отличается значение одного класса от значения другого (соседнего).

$$K = \frac{22,9 - 6,0}{6} = \frac{16,9}{6} = 2,8 = 3$$

Полученный указатель классового промежутка для удобства следует округлить, например, 2,8 до 3; 382 до 400; 2,5 до 3; 17 до 20 и т.д.

5. Найти нижние границы классов.

За нижнюю границу 1-го класса обычно принимают минимальное значение признака. Однако для удобства допускается округление минимальной величины ($X \min$) в меньшую сторону. Для этого из минимального значения вычисляют величину равную 1/2 классового промежутка (К). Если, например, минимальное значение признака (удой за лактацию) в выборке составило 2138 кг, а классовый промежуток $K = 500$ кг, то удобнее нижнюю границу 1-го класса определить в 2000 кг отбросив 138 кг (что несколько меньше 1/2 К).

Нижняя граница 2-го класса = нижняя граница 1-го класса + классовый промежуток.

Нижняя граница 3-го класса = нижняя граница 2-го класса + классовый промежуток.

Так же находим нижние границы и остальных классов.

В нашем примере минимальное значение признака 6,0, которое и будет нижней границей 1-го класса. Прибавив к ней величину классового промежутка (3 кг) находим нижнюю границу второго класса и т.д.

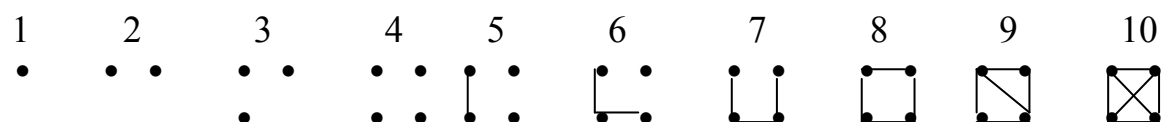
Чтобы при разnosке варианта не попала на границу между классами, проставляют верхнюю границу каждого класса. Для этого уменьшают нижнюю границу следующего класса на 0,1; 0,01; или на 1, в зависимости от точности измерения.

При записи границ классов обязательно обращают внимание на то, чтобы последний класс вариационного ряда включал в себя вариант с максимальным значением признака, а первый - с минимальным.

6. Найти средние значения классов (W).

$W = \text{нижняя граница класса} + \text{половина классового промежутка}$

7. Варианты изучаемой совокупности (X) разносят по классам. Разnosку вариант по классам производят по порядку их записи (без выбора): отмечают точкой и черточкой в соответствующем классе, пользуясь обозначениями так называемой десятичной системы (или конвертика).



После разnosки вариант по классам подсчитывают их количество в каждом классе.

Число вариант в классе называют частотами и обозначают символом f .

Число частот при разnosке должно быть равно общему числу вариант в выборке (n).

В примере $f = n = 40$.

Составленный вариационный ряд будет иметь следующий вид:

Границы классов	Средние значения классов	Разnosка	Частота f
6,0 - 8,9	7,5	• • • •	5
9,0 - 11,9	10,5	• • └─└─•	10
12,0 - 14,9	13,5	• • └─└─└─•	14
15,0 - 17,9	16,5	• • └─└─•	7
18,0 - 20,9	19,5	• • •	3
21,0 - 23,9	22,5	•	1

$$\sum f = 40 = n$$

В таком виде вариационный ряд готов к математической обработке с целью

нахождения нужных параметров совокупности.

Рассмотрение вариационного ряда без всяких вычислений позволяет определить величину основных статистических показателей и разнообразия с таким приближением, которое вполне достаточно для первого ознакомления с признаком.

Если взять вариационный ряд, приведенный в примере 1, то без вычислений можно сказать следующее:

а) средняя арифметическая признака находится между 12 и 15, недалеко от 13,5;

б) мода признака (наиболее часто встречающееся значение) равна примерно 12;

в) лимиты (\lim) и размах признака примерно 6,0 - 24,0 (18);

В большинстве распределений, с которыми приходится встречаться зоотехнику, проявляется определенная закономерность.

1. Крайние значения (наименьшие и наибольшие) появляются редко;

2. Чем ближе значение признака к средней арифметической, тем оно чаще встречается. На середину вариационного ряда приходится наибольшее число вариантов.

3. Частоты симметрично убывают от середины к краям вариационного ряда.

Подобное распределение значений признака получило название: нормальное распределение.

Такую закономерность можно использовать для решения многих практических задач.

Вариационный ряд можно представить в виде ступенчатой кривой, называемой гистограммой или полигона частот (вариационной кривой)

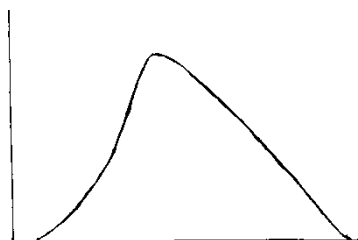
Для построения гистограммы (столбчатой диаграммы) по оси абсцисс откладывают границы классов, а по оси ординат – частоты.

Для построения полигона частот (вариационной кривой) по оси абсцисс откладывают средние значения классов, а по оси ординат – частоты.

Правильно изображенные гистограммы и вариационные кривые должны быть справа и слева доведены до пересечения с осью абсцисс.

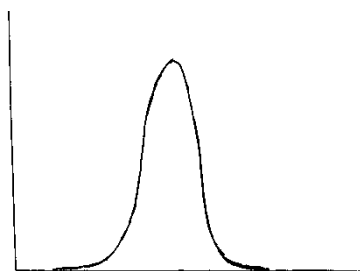
В реальном стаде распределение признака несколько отличается от нормального. Оно может быть:

АССИМЕТРИЧНЫМ



Вершины вариационных кривых смещены влево или вправо. Причины асимметричного распределения различны: резкая неоднородность условий развития отобранных для изучения особей, преобладание в отобранной группе особей с лучшими или худшими наследственными задатками; разная степень реакции особей на лучшие и худшие условия.

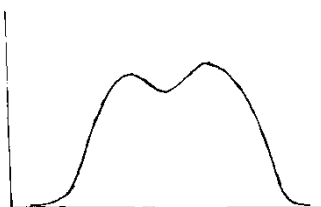
ЭКСЦЕССИВНЫМ



Кривые вариационных рядов островевершинные с резким преобладанием вариантов в средних классах, так называемый – *эксцесс*.

Это может быть связано с реакцией организма на условия среды, когда оптимальное развитие признака достигается при довольно широких границах колебания условий среды, и только наиболее крайние отклонения этих условий влияют на большее или меньшее развитие признака. Аналогичное явление может произойти и под влиянием наследственности.

ТРАНСГРЕССИВНЫМ



Кривые таких типов характерны для смешанного материала, например для животных разных пород, или выращенных в крайне неодинаковых условиях, или резко различающихся по наследственным особенностям.

Эти отличия от нормального распределения, как правило, не большие, и поэтому при анализе этим можно пренебречь.

Благодаря нормальности распределения количественных признаков с помощью биометрических методов можно выполнять следующие анализы:

1. Дать характеристику стада не только по средним величинам признака, но и по их изменчивости.
2. Определить повторяемость признака.
3. Определить наследуемость признака.
4. Дать характеристику взаимосвязи между отдельными признаками.
5. Рассчитать эффективность селекции различных вариантов программ и выбрать оптимальный.

Основными статистическими параметрами количественных признаков являются: средняя арифметическая (\bar{X}), среднее квадратическое (стандартное) отклонение или сигма (σ), ошибка средней арифметической (m_x) и коэффициент изменчивости (C_v).

1.2 ВЫЧИСЛЕНИЕ СРЕДНЕЙ АРИФМЕТИЧЕСКОЙ ВЕЛИЧИНЫ \bar{X}

Для характеристики большинства хозяйственно полезных признаков используют среднюю арифметическую величину. \bar{X}

Средняя арифметическая (\bar{X}) показывает какое значение признака наиболее

характерно для данной совокупности. Измеряется средняя арифметическая в тех же единицах, что и признак.

Средняя величина признака приобрела большое значение в генетических исследованиях и в практике племенной работы.

Для больших выборок применяют непрямые методы вычисления средней арифметической. Вычисление производится по формуле:

$$\bar{X} = A + v \quad \text{или} \quad \bar{X} = A + K \frac{\sum fa}{n}$$

где А – произвольно выбираемая условная средняя ;

v – поправка к условной средней.

K- классовый промежуток

f – частота

n – число вариант в выборке

a – отклонение отдельных классов от условной средней, выраженное в числе классовых промежутков.

Пример: Вычислить среднесуточный удой 40 коров черно-пестрой породы по вариационному ряду (см. пример выше).

В примере (1) с суточным удоем коров эти расчеты будут выглядеть так:

Среднее значение класса, кг	Частоты (f)	Отклонения (a)	f a
7,5	5	-2	-10
10,5	10	-1	-10
13,5	14	0	0
16,5	7	+1	7
19,5	3	+2	6
22,5	1	+3	3

$$\sum fa = -4$$

Для вычисления средней арифметической величины необходимо:

1. Выбрать условную среднюю (А). За условную среднюю А может быть принято среднее значение любого класса, но удобнее использовать среднее значение класса с наибольшим количеством вариант n, поскольку искомая X скорее всего будет близка к нему в данном примере А= 13,5

2. Устанавливаем на какое количество классовых промежутков отклоняется каждый класс от класса принятого за условную среднюю. Эти отклонения обозначают буквой (a).

Для класса среднее значение которого принято за А, всегда a=0.

Если среднее значение классов меньше условной средней, то отклонениям присваивается знак «минус» (-1, -2, -3 и т.д.), а если среднее значение классов больше условной средней, то отклонениям присваивается знак «плюс» (+1, +2, +3, и т.д.).

3. Умножить отклонение каждого класса (a) на количество вариант (f) в классе (учитывая знаки). Подсчитать сумму произведений f a ($\sum fa$).

В нашем случае она составляет $\sum fa = -20+16 = -4$.

4. Пользуясь формулой, рассчитать среднюю арифметическую

$$\bar{X} = A + K \frac{\sum fa}{n}$$

В данном примере $A = 13,5$, $K = 3$, $\sum fa = -4$ при $n = 40$

$$\bar{X} = 13,5 + 3 \frac{-4}{40} = 13,5 - 0,3 = 13,2 \text{ кг}$$

Вывод: Данная группа коров характеризуется среднесуточным удоем 13,2 кг молока.

1.3. ПОКАЗАТЕЛИ, ХАРАКТЕРИЗУЮЩИЕ РАЗНООБРАЗИЕ ПРИЗНАКОВ (lim, σ , C_v).

Важное свойство совокупности - разнообразие входящих в нее объектов, что обусловлено изменчивостью.

Оценка степени разнообразия животных в изучаемых группах – важнейший элемент селекционной работы. Большое значение придается ей в связи с переводом животноводства на промышленную технологию для обеспечения выпуска стандартной продукции.

Зоотехнику- селекционеру в начале создания новых пород, породных групп, линий важно знать степень разнообразия исходного материала: чем разнообразнее племенные группы, тем больше имеется возможности для отбора и подбора. Однако при завершении работы по созданию пород, линий и т. д. наряду с повышением средней арифметической хозяйственно-полезных признаков требуется уменьшение разнообразия, создание однородных групп по экстерьерным признакам, по качеству шерсти и т.д.

Разнообразие объектов в совокупности характеризуется целым рядом показателей:

А). *Лимиты* (lim) или пределы $\lim = X_{\min} \dots X_{\max}$. Границы разнообразия определяются крайними вариантами.

Они отмечают наивысший показатель продуктивности, имеющийся в исследуемой группе (удой, настриг шерсти и т. д.). В то же время лимиты отмечают и наличие наименее продуктивных животных нерентабельных для хозяйства.

Б) *Размах разнообразия* $\rho = X_{\max} - X_{\min}$

Чем меньше ρ , тем меньше разнообразие и наоборот.

Пример: В двух хозяйствах имеется по пять быков, живая масса которых следующая (кг) :

1 – хозяйство	640	645	650	655	660	$\bar{X}_1 = 650$ кг
2 – хозяйство	610	630	650	670	690	$\bar{X}_2 = 650$ кг

Средняя живая масса быков в обоих хозяйствах одинаковая, однако в первом хозяйстве разнообразие по этому признаку гораздо меньше, чем во втором.

В приведенном примере лимиты таковы:

$$\text{Lim}_1 = 640 \text{ ----- } 660 \text{ кг};$$

$$\text{Lim}_2 = 610 \text{ ----- } 690 \text{ кг}.$$

Предположим, в двух хозяйствах имеется по десять баранов, живая масса которых следующая (кг):

1 – хозяйство 100 110 120 130 140 150 160 170 180 190

$$\bar{X}_1 = 145 \text{ кг}, \quad \text{Lim}_1 = 100 - 190 \text{ кг}$$

2 – хозяйство 100 145 145 145 145 145 145 145 145 190

$$\bar{X}_2 = 145 \text{ кг}, \quad \text{Lim}_2 = 100 - 190 \text{ кг}$$

Средние арифметические и лимиты для обеих групп одинаковы, но степень разнообразия этих групп неодинакова. В первом хозяйстве все бараны по весу различны, а во втором – из десяти баранов восемь имеют одинаковый вес. Разнообразие первой группы несомненно больше, но отметить это с помощью лимитов невозможно. В таком случае необходимо привлечение основного показателя разнообразия – среднего квадратического отклонения (σ).

В) *Среднее квадратическое отклонение* σ (сигма) – используется и как самостоятельный показатель и для определения целого ряда других параметров совокупности (коэффициента вариации, ошибок репрезентативности, коэффициентов корреляции и регрессии и др.). Сигма – показатель именованный и выражается в тех же единицах, что и изучаемый признак.

Вычисление среднего квадратического отклонения в многочисленных выборках проводят по формуле:

$$\sigma = \pm K \sqrt{\frac{\sum fa^2}{n} - \left(\frac{\sum fa}{n}\right)^2}$$

Вычислить среднее квадратическое отклонение по вариационному ряду (смотри пример 1).

Среднее значение класса	Частоты (f)	Отклонения (a)	f a	f a ²
7.5	5	-2	-10	20
10.5	10	-1	-10	10
13.5	14	0	0	0
16.5	7	+1	+7	7
19.5	3	+2	+6	12
22.5	1	+3	+3	9
K=3	n = f = 40		$\sum f a = -4$	$\sum f a^2 = 58$

Подставляем в формулу полученные значения:

$$\sigma = \pm K \sqrt{\frac{58}{40} - \left(\frac{-4}{40}\right)^2} = \pm 3 \sqrt{1,45 - (-0,1)^2} = \pm 3 \sqrt{1,45 - 0,01} = \pm 3 \sqrt{1,44} = \\ = \pm 3 \cdot 1,2 = \pm 3,6 \text{ кг.}$$

Вывод : В данной совокупности суточные удои коров отклоняются от среднесуточного удоя по группе на величину $\pm 3,6$ кг.

Сигма имеет два знака (+ и -). Это свидетельствует об отклонении вариант от средней арифметической как в большую сторону так и в меньшую. Отмечено, что в пределах $\bar{X} \pm 1 \sigma$, находится 68% вариант совокупности, в пределах $\bar{X} \pm 2\sigma$ – 95,5% вариант, а в пределах $\bar{X} \pm 3\sigma$ – 99,7%, т.е. практически все варианты.

Г) Коэффициент вариации (C_v) используют:

1) для сравнения степени разнообразия признаков выраженных в разных единицах измерения;

2) при сравнении степени разнообразия одинаковых признаков если средние арифметические сильно различаются.

Коэффициент вариации вычисляется по формуле:

$$C_v = \frac{\sigma}{\bar{X}} \cdot 100$$

Чем больше значение C_v , тем выше разнообразие селекционируемого признака в совокупности.

Выделяют степень разнообразия признака:

Сильную - $C_v \geq 15\%$.

Слабую $C_v \leq 5\%$

Среднюю $C_v < 15\%$

Пример: Определить степень разнообразия изучаемых признаков в данной группе.

Признаки	\bar{X}	σ	$C_v = \frac{100 \cdot \sigma}{\bar{X}}$
Живая масса (кг)	500	50	10 %
Удой за лактацию, кг.	4000	760	19 %
Содержание жира в молоке, %	4,0	0,3	7,5 %

Вывод: В исследуемой группе наиболее разнообразным был удой, а наименее – процент жира.

Пример: Сравнить степень варьирования одинаковых признаков у разных групп, если разность между средним арифметическим (\bar{X}_1 , \bar{X}_2) этих признаков очень большая. Средний удой стада № 1 равен 3000 кг. ($\sigma = \pm 600$ кг). Средний удой стада № 2 равен 5000 кг. ($\sigma = \pm 700$ кг). Коэффициент вариации для первого стада

$$C_v = \frac{600 \cdot 100}{3000} = 20 \%$$

а для второго

$$C_v = \frac{700 \cdot 100}{5000} = 14 \%$$

Хотя сигма во втором стаде была больше, чем в первом, но больший коэффициент вариации указывает на большую разнородность удоя коров в первом стаде.

ТЕМА 2. ОШИБКИ РЕПРЕЗЕНТАТИВНОСТИ И ИХ ПРИМЕНЕНИЕ В БИОМЕТРИИ

При характеристике генеральной совокупности в большинстве случаев пользуются выборкой.

Любая выборка, являясь только частью генеральной совокупности, не может абсолютно точно отразить ее свойство.

Поэтому выборочные параметры будут отличаться от параметров генеральной совокупности.

Ограниченность объема выборки и случайность отбора объектов в выборку являются объективными источниками статистических ошибок (ошибок репрезентативности). При использовании выборочного метода, статистических ошибок нельзя избежать, их необходимо учитывать, чтобы делать научно- обоснованные выводы.

Ошибки репрезентативности показывают степень соответствия выборочных параметров параметрам генеральной совокупности. Чем меньше значения ошибки, тем точнее вычисленный параметр, тем ближе его значение к значению соответствующего параметра генеральной совокупности.

Согласно закону больших чисел практически маловероятно существенное отклонение выборочного параметра \bar{X} , σ и др. от соответствующего параметра генеральной совокупности \bar{X} , σ и др., если число наблюдений достаточно велико. При изучении всех членов генеральной совокупности статистических ошибок не может быть, т. к. генеральный параметр рассчитывается непосредственно. Например, если необходимо охарактеризовать по удою группу коров, закрепленных за какой-то дояркой, то, принимая во внимание ограниченный объем данной генеральной совокупности, можно привести сплошное обследование, т. е. учесть удои у всех коров, входящих в данную группу. В этом случае рассчитанные по всем животным средняя арифметическая \bar{X} и среднее квадратическое отклонение σ будут генеральными параметрами. Ошибки вычисляются для всех выборочных параметров и обычно обозначаются буквой m с подстрочным указанием знака того параметра, для которого они определяются: m_x ; m_σ m_{Cv} и т.д.

Выборочные параметры записываются вместе со своей ошибкой:

$$\bar{X} \pm m_x ; \sigma \pm m_\sigma ; C_v \pm m_{Cv} \text{ и т.д.}$$

Ошибки репрезентативности выборочной средней арифметической для больших выборок вычисляют по формуле:

Для малой выборки
$$m_x = \frac{\sigma}{\sqrt{n}}$$

$$m_x = \frac{\sigma}{\sqrt{n-1}}$$

Чем больше объем выборки, тем меньше ошибка, тем меньше отклонение выборочной средней арифметической от генеральной средней арифметической.

Ошибка – величина именованная (см., кг., % и т.д.) выражается в тех же единицах, что и признак.

Ошибка среднего квадратического отклонения

$$m_\sigma = \frac{\sigma}{\sqrt{2n}}$$

Коэффициента вариации

$$m_{Cv} = \frac{Cv}{\sqrt{2n}}$$

Коэффициента корреляции

$$m_r = \frac{1-r^2}{\sqrt{n}}$$

Коэффициента регрессии

$$m_{Ry/x} = \frac{\sigma_y}{\sigma_x} \bullet m_r ; m_{Rx/y} = \frac{\sigma_x}{\sigma_y} \bullet m_r$$

Ошибки репрезентативности используются для:

1. Установления доверительных границ параметров генеральной совокупности.
2. Определения достоверности выборочных параметров.
3. Определения достоверности разности между средними арифметическими двух выборочных совокупностей.

2.1. ОПРЕДЕЛЕНИЕ ДОВЕРИТЕЛЬНЫХ ГРАНИЦ ПАРАМЕТРОВ ГЕНЕРАЛЬНОЙ СОВОКУПНОСТИ

Доверительными границами называют крайние значения признака, в пределах которых с заданной вероятностью может находиться параметр генеральной совокупности, а интервал между ними – доверительным.

Доверительные границы для средней арифметической генеральной совокупности рассчитываются:

$$\hat{X}_{генер.} = \bar{X}_{выбор} \pm t \cdot m_x, \text{ где}$$

t (критерий надежности выводов) – показатель вероятности безошибочного прогноза (P). Надежность – это вероятность того, что генеральный параметр в действительности окажется внутри доверительных границ.

Устанавливают вероятность безошибочного прогноза (P).

В практике зоотехнических исследований сложились три основных уровня (порога) надежности выводов (P) и соответствующие им три значения критерия надежности (t).

Первый порог надежности P = 0,95, которому соответствует значение критерия t = 1,96.

Вероятность 0,95 означает, что если из генеральной совокупности сделать 100 выборок в каждой из которых рассчитать 100 интервалов

$\bar{X}_{выб.} \pm 1,96 \cdot m_x$, то по крайней мере в 95 случаях генеральный параметр \bar{X} попадет в указанный интервал, а в 5 случаях может оказаться за его пределами.

Критерий надежности t = 1,96 используется при планировании обычных зоотехнических и научно- производственных опытов.

Второй порог надежности – повышенный P = 0,99, ему соответствует значение t = 2,57. Этот порог надежности применяется в проверочных опытах, в экономических и биологических исследованиях.

Третий порог надежности P = 0,999 и соответствующее ему t = 3,29 используется при проверке гипотез и спорных вопросов, а также при изучении действия различных лекарств в ветеринарии и медицине.

Для малых выборок критерий надежности определяют по таблице Стьюдента, для соответствующего числа степеней свободы (приложение).

$$\gamma = n - 1$$

Например, при n = 20, $\gamma = n - 1 = 20 - 1 = 19$, P = 0,95 t = 2,09

В практике нижняя доверительная граница используется при планировании производства, а верхняя – при планировании материальных затрат (планировании потребности в материалах, кормах, оборудовании), поскольку вероятность того, что генеральный параметр может быть больше верхней и меньше нижней доверительной границы, очень низка (соответственно 0,05; 0,01 или 0,001).

Если нижняя доверительная граница окажется равной нулю или примет отрицательное значение, то выборочный параметр считается недостоверным.

Пример: При изучении мясных качеств животных казахской белоголовой породы, получили следующие первичные данные о массе туши двухлетних волов: n = 400, $\bar{X} = 200$ кг, $\sigma = \pm 20$ кг.

Требуется дать прогноз средней массы туши для всех двухлетних волов этой породы, подготовленных для использования на мясо в аналогичных условиях.

1. Определяем вероятность безошибочного прогноза P = 0,95.

2. Находим критерий надежности по таблице критериев Стьюдента. При P = 0,95 и при $\gamma = n - 1 = 400 - 1 = 399$ равен $t_1 = 2,0$.

3. Ошибка репрезентативности выборочной средней:

$$m_{\bar{x}} = \frac{\sigma}{\sqrt{n}} = \frac{20}{\sqrt{400}} = 1,0 \text{ кг}$$

4. Максимальная погрешность оценки генерального параметра:
 $\Delta = t \cdot m = 2,0 \cdot 1,0 = 2,0 \text{ кг}$.

5. Доверительные границы :

$$\hat{\bar{X}}_{\text{генер}} = 200 \pm 2,0 \text{ кг}$$

$$\hat{\bar{X}}_{\text{генер}} \begin{cases} \text{Не более } \bar{X}_{\text{выб.}} + t \cdot m_x = 200 + 2 = 202 \text{ кг} \\ \text{Не менее } \bar{X}_{\text{выб.}} - t \cdot m_x = 200 - 2 = 198 \text{ кг} \end{cases}$$

Эти границы (198-202) в данном случае имеют вполне определенное производственное значение. По нижней границе, или по гарантированному минимуму, следует планировать общее поступление мяса от переработки всех таких животных, а по верхней границе, или по возможному максимуму, надо готовить технику переработки, емкость холодильников и транспортные средства для перевозок мяса от этого скота.

2.2. ОПРЕДЕЛЕНИЕ ДОСТОВЕРНОСТИ ВЫБОРОЧНЫХ ПАРАМЕТРОВ.

Прежде чем находить доверительные границы генеральных параметров, необходимо установить, а достоверны ли выборочные параметры, т.е. будут ли выборочные параметры соответствовать параметрам генеральной совокупности.

Существует общее правило определения достоверности выборочных параметров: отношение выборочного параметра к его ошибке сравнивают с критерием надежности (t табл.) из таблицы Стьюдента для соответствующего числа степеней свободы $\gamma = n - 1$.

$$t_x = \frac{\bar{X}}{m_{\bar{X}}}; \quad t_{\sigma} = \frac{\sigma}{m_{\sigma}}; \quad t_{Cv} = \frac{Cv}{m_{Cv}} \quad \text{и т.д.},$$

где t_x – критерий достоверности выборочной средней арифметической.

Если критерий достоверности выборочного параметра больше или равен табличному критерию (t табл.) – то выборочный параметр достоверен, т.е. он будет соответствовать параметру генеральной совокупности, тогда можно указать доверительные границы генерального параметра.

Если критерий достоверности меньше табличного критерия – выборочный параметр недостоверен, что не позволяет судить о значении параметра генеральной совокупности.

2.3 .ОПРЕДЕЛЕНИЕ ДОСТОВЕРНОСТИ РАЗНОСТИ МЕЖДУ СРЕДНИМИ АРИФМЕТИЧЕСКИМИ ДВУХ ВЫБОРОЧНЫХ СОВОКУПНОСТЕЙ.

В исследованиях часто необходимо сравнение средних арифметических двух групп животных (например, средний вес животных опытной и контрольной групп, среднюю продуктивность дочерей двух производителей и т.д.).

Выборочные средние арифметические двух сравниваемых групп всегда в некоторой мере отличаются друг от друга. По полученной в исследовании разности между двумя средними двух выборок нельзя непосредственно сделать вывод о разности между генеральными средними арифметическими сравниваемых совокупностей.

Необходимо определить *достоверность разности* выборочных средних арифметических.

Достоверность означает возможность обобщить данные опыта, перенести результаты исследования выборок на соответствующие генеральные совокупности.

Предположим, что в опыте выборочная средняя первой группы (\bar{X}_1) – оказалась больше выборочной средней второй группы (\bar{X}_2), т.е. $\bar{X}_1 > \bar{X}_2$.

Если разность выборочных средних достоверна – это означает, что такую же – по знаку разность, какая получена в эксперименте, следует ожидать (с принятым уровнем надежности выводов) и между соответствующими генеральными средними арифметическими, т.е. большей по величине выборочной средней соответствует и большая генеральная средняя, а меньшей по величине выборочной средней соответствует меньшая генеральная средняя. Если выборочная средняя 1-й группы (\bar{X}_1) больше выборочной средней 2-й (\bar{X}_2) группы и разность достоверна, то и генеральная средняя \hat{X}_1

будет больше генеральной средней \hat{X}_2 .

В том случае, если разность недостоверна, остается неизвестным, находятся ли генеральные средние в таком же соотношении между собой, как и выборочные средние, или их значения противоположны, или они равны. Другими словами, если в эксперименте $\bar{X}_1 > \bar{X}_2$, но разность недостоверна, то не ясно:

$$\hat{X}_1 > \hat{X}_2 \text{ или } \hat{X}_1 = \hat{X}_2 \text{ или } \hat{X}_1 < \hat{X}_2$$

Для выборок оптимального объема недостоверность разности означает принятие "*нулевой гипотезы*" о равенстве генеральных средних арифметических. Для определения достоверности разности выборочных средних рассчитывают критерий достоверности разности td по формуле:

$$td = \frac{d}{md} = \frac{\bar{X}_1 - \bar{X}_2}{\sqrt{m_1^2 + m_2^2}}$$

где d - разность средних арифметических выборок (из большей средней вычитают меньшую);

md - ошибка разности;

m_1^2, m_2^2 - квадраты ошибок соответствующих средних арифметических.

Полученные фактические значения td надо сравнить с табличным критерием t , взятым из таблицы стандартных значений критерия Стьюдента (см. Приложение 1) для числа степеней свободы $- \gamma = n_1 + n_2 - 2$, где n_1 - количество вариант первой группы, n_2 - количество вариант второй группы.

Если $td \geq t_{\text{табл.}}$, то разность достоверна с соответствующим уровнем надежности выводов ($P_1 = 0,95$; $P_2 = 0,99$; $P_3 = 0,999$).

Если $td < t_{\text{табл.}}$, то разность недостоверна, тогда «нулевая гипотеза» не отвергается. Это значит:

- а) по выборочной разности нельзя сделать никакой оценки генеральной разности;
- б) осталось невыясненным, какая из двух генеральных средних больше;
- в) осталось недоказанным как наличие, так и отсутствие различия между генеральными средними.

За минимальный порог достоверности в подавляющем большинстве исследований принимается первый порог, соответствующий вероятности безошибочных прогнозов $P_1 = 0,95$.

Пример 1. Сравнивали живую массу взрослых индеек двух пород после одинакового откорма. По выборкам получены следующие сводные показатели.

$$n_1 = 20, \quad \bar{X}_1 \pm m_1 = 4,0 \pm 0,3 \text{ кг.},$$

$$n_2 = 25, \quad \bar{X}_2 \pm m_2 = 4,6 \pm 0,4 \text{ кг.},$$

$$d = \bar{X}_2 - \bar{X}_1 = 0,6.$$

Требуется определить достоверность полученной выборочной разности:

$$td = \frac{\bar{X}_2 - \bar{X}_1}{\sqrt{m_1^2 + m_2^2}} = \frac{0,6}{0,5} = 1,2$$

1) Полученные результаты ($d \cdot 0,6$) свидетельствуют о том, что в некоторых группах индейки второй породы могут оказаться в среднем тяжелее индеек первой породы;

2) Так как полученная разность оказалась недостоверной, то ничего нельзя заключить о всех представителях обеих пород. Осталось невыясненным, какая порода (вся) может иметь больший средний вес. Нельзя считать доказанным, что разницы в среднем весе между породами нет и что эти породы в среднем одинаковы по весу.

Пример 2. В пригородном свиноводстве испытывали рационы с добавкой витаминов при беконном откорме подсвинков. Были образованы опытная (О) и контрольная (К) группы на 100 откормочников в каждой. В течении месяца опытная

группа получала сверх обычного рациона комплекс витаминов. В конце месяца для каждого подсвинка определена прибавка в весе и затем высчитан средний суточный прирост по каждой группе.

Первичные данные:

$$n_k = 100, \quad \bar{X}_k = 700 \text{ г}, \quad \sigma_k = 50 \text{ г}, \quad m_k = 5 \text{ г};$$

$$n_o = 100, \quad \bar{X}_o = 800 \text{ г}, \quad \sigma_o = 60 \text{ г}, \quad m_o = 6 \text{ г};$$

$$d = \bar{X}_o - \bar{X}_k = 800 - 700 = 100$$

$$td = \frac{800 - 700}{\sqrt{5^2 + 6^2}} = \frac{100}{7,8} = 12,8$$

$$\gamma = 198 \quad t_{st} = (2,0-2,6-3,3)$$

Действие витаминов оказалось в высшей степени достоверным. Все поголовье совхоза переведено на витаминизированные рационы.

Аналогично рассчитывают достоверность разности между всеми другими выборочными параметрами. Например, достоверность разности между двумя выборочными коэффициентами корреляции определяют так:

$$td_r = \frac{d_r}{md_r} = \frac{r_1 - r_2}{\sqrt{m_{r_1}^2 + m_{r_2}^2}} \geq t_{\text{табл}} (v = n_1 + n_2 - 4)$$

Такая необходимость может возникнуть при сравнении разных пород, линий и т.д., но особенно часто – при оценке производителей по качеству потомства: сравнивая степень связи между селекционируемыми признаками у матерей и у их потомков от данного производителя, можно определить степень наследственного влияния производителя на связь между признаками.

ТЕМА 3. СТАТИСТИЧЕСКИЕ ВЗАИМОСВЯЗИ И СПОСОБЫ ВЫЧИСЛЕНИЯ ИХ ВЕЛИЧИН

3.1 КОРРЕЛЯЦИОННАЯ СВЯЗЬ И ВЫЧИСЛЕНИЕ КОЭФФИЦИЕНТА ФЕНОТИПИЧЕСКОЙ КОРРЕЛЯЦИИ

В племенном деле при проведении отбора животных для спаривания очень большое значение имеет знание закономерностей соотносительной изменчивости и обязательный их учет в повседневной практической работе.

В биологии термин «корреляция» употребляется для обозначения взаимной связи между отдельными частями, признаками и свойствами организма, проявляющейся в том, что изменение одной части (или признака) ведет к соответствующему изменению другой, связанной с ней части (или признака).

Так, высота в холке в определенной мере связана с живой массой. Но такая связь не абсолютна, поскольку всегда найдутся особи, у которых, например, живая масса увеличена, а высота в холке нет. Довольно часто от обильномолочных матерей рождаются маломолочные дочери и т.д. Но, так как изучаются не отдельные особи, а целые их группы (совокупности), то эти индивидуальные отличия сглаживаются и отчетливо становится видно, что в массе закономерная связь существует.

Обнаружить наличие или отсутствие корреляционной связи между какими-либо признаками можно на основании обследования большой группы животных, в результате обработки полученных цифр определенным биометрическим методом.

Для оценки связи между биологическими признаками и свойствами используется **коэффициент корреляции** (r). Он является величиной неименованной и показывает **направление и силу** корреляционной связи.

Силу связи показывает абсолютная величина « r », а ее **направление** – знак перед ним. Наличие знака «+» означает, что между признаками существует **положительная корреляция**, когда при увеличении одного признака у особей совокупности другой признак также возрастает или при уменьшении одного признака другой также снижается. Следовательно, изменение признаков происходит в одном направлении. Например, с увеличением живой массы коров матерей (до определенного оптимума) увеличивается и живая масса получаемых от них телят и т. п. Знак «-» указывает на наличие между признаками **отрицательной (обратной), разнонаправленной связи**, при которой увеличение одного признака сопровождается уменьшением другого (например, с увеличением удоя жирномолочность уменьшается). Значения коэффициента корреляции варьируют в пределах от +1 до -1.

Различают слабую, среднюю и высокую корреляционную зависимость (связь):

- если $r > 0,7$, то связь сильная (тесная, высокая);
- если $r < 0,3$ – слабая (низкая);
- если $r = 0,3+0,7$ – средняя.

Если $r = 0$, то связь между признаками криволинейная, т.е. с увеличением одного признака, другой увеличивается до определенного момента, а затем уменьшается или наоборот. Например, с увеличением возраста удои увеличивается до 6-7 отела, а затем у большинства коров снижается.

При криволинейной корреляции связь сначала положительная, затем отрицательная.

Техника расчета коэффициента корреляции в больших выборках

Для определения коэффициента корреляции в большой выборке сначала строят корреляционную решетку. Затем корреляционную решетку обрабатывают и находят коэффициент корреляции по формуле:

$$r = \frac{\sum \sum f a_x a_y - n \cdot \beta_x \cdot \beta_y}{n \cdot S_x \cdot S_y}$$

$$\beta = \frac{\sum f a}{n}$$

$$S = \sqrt{\frac{\sum f a^2}{n} - \beta^2}$$

Порядок работы рассмотрим на примере:

Пример 1 Вычислить коэффициент корреляции (r) между живой массой и обхватом груди у коров ярославской породы, по приведенным данным.

Живая масса и обхват груди у коров ярославской породы

Живая масса, кг	Обхват груди, см	Живая масса, кг	Обхват груди, см	Живая масса, кг	Обхват груди, см
489	184	440	185	445	180
467	186	524	194	420	179
462	185	447	179	491	191
441	182	430	179	450	181
473	186	485	187	406	172
491	190	440	173	417	174
545	196	488	187	434	177
433	183	439	180	432	177
488	191	445	180	505	193
539	196	504	191	534	195
440	182	550	203	473	188
475	186	495	190	441	179
411	178	536	192	556	197
488	189	426	186	486	185
426	177	388	169	535	196
390	172	407	176	460	183
482	191	425	184	469	180
391	174	390	172	421	180
470	185	418	179	520	195
421	180	465	189	445	183
429	176	391	174	384	173
439	180	365	167	488	182
442	183	383	172	500	190
490	189	427	183	432	178
426	177	448	186	475	185

1. Произвольно обозначим живую массу через X , а обхват груди – Y . Построить вариационный ряд по каждому признаку.

Живая масса - X
 $\min = 365$ кг, $\max = 556$ кг

Обхват груди – Y
 $\min = 167$ см, $\max = 203$ см

$$K = \frac{556-365}{8} = 23,9 \approx 24 \text{ кг}$$

$$K = \frac{203-167}{8} = 4,5 \approx 5 \text{ см}$$

2. Строим корреляционную решетку. Произвести разnosку вариант одновременно по двум признакам. Например, первая корова имеет живую массу 489 кг и обхват груди 184 см. По живой массе она должна быть отнесена в класс 485-508, а по обхвату груди – в класс 182-186. Животное с этими показателями помещают в ячейку, находящуюся на пересечении указанных классов по живой массе и обхвату груди.

3. Подсчитать число частот в каждом классе, как по горизонтали (f_y), так и по вертикали (f_x).

4. Выделить в каждом вариационном ряду условный средний класс.

5. Вычислить отклонение от модального класса (a_x, a_y), произведения частот на отклонение ($f_x a_x, f_y a_y$) и частот на квадраты отклонений ($f_x a_x^2, f_y a_y^2$).

6. Условные классы разделили корреляционную решетку на четыре квадранта (I, II, III, IV).

Вычислить $\sum f a_x a_y$ для каждого квадранта. Для этого частоту каждого квадранта умножают на отклонение a_x, a_y . Частоты в условных средних не учитываем.

I квадрант	II квадрант	III квадрант	IV квадрант
$\sum f a_x a_y$	$\sum f a_x a_y = 0$	$\sum f a_x a_y$	$\sum f a_x a_y$
$2 \cdot (-2) \cdot (-3) = 12$		$1 \cdot 1 \cdot (-2) = -2$	$3 \cdot 2 \cdot 1 = 6$
$2 \cdot (-2) \cdot (-2) = 8$		$7 \cdot 1 \cdot (-1) = -7$	$10 \cdot 3 \cdot 1 = 30$
$6 \cdot (-1) \cdot (-2) = 12$		$1 \cdot 2 \cdot (-1) = -2$	$1 \cdot 3 \cdot 2 = 6$
$1 \cdot (-1) \cdot (-1) = 1$			$2 \cdot 4 \cdot 2 = 16$
			$5 \cdot 5 \cdot 2 = 50$
			$1 \cdot 5 \cdot 3 = 15$
			$1 \cdot 5 \cdot 4 = 20$
$\sum f a_x a_y = 33$		$\sum f a_x a_y = -11$	$\sum f a_x a_y = 143$

Найти сумму сумм квадрантов:

$$\sum \sum f a_x a_y = 33 + 0 + (-11) + 143 = 165$$

7. Подставляем значения в формулы:

$$\beta_x = \frac{\sum f_x a_x}{n} = \frac{105}{75} = 1,4$$

$$\beta_y = \frac{\sum f_y a_y}{n} = \frac{-11}{75} = -0,147$$

$$S_x = \sqrt{\frac{\sum f_x a_x^2}{n} - \beta_x^2} = \sqrt{\frac{411}{75} - 1,4^2} = \sqrt{5,48 - 1,96} = \sqrt{3,52} = 1,88$$

$$S_y = \sqrt{\frac{\sum f_y a_y^2}{n} - \beta_y^2} = \sqrt{\frac{151}{75} - (-0,147)^2} = \sqrt{2,01 - 0,02} = \sqrt{1,99} = 1,41$$

$$r = \frac{\sum \sum f a_x a_y - n \cdot \beta_x \beta_y}{n \cdot S_x \cdot S_y} = \frac{165 - 75 \cdot 1,4 \cdot (-0,147)}{75 \cdot 1,88 \cdot 1,41} = \frac{165 - (-15,44)}{198,81} = +0,91$$

ВЫВОД: Между живой массой и обхватом груди сильная, положительная коррелятивная связь. С увеличением живой массы у коров увеличивается обхват груди.

Корреляционная решетка

Y - обхват X - живая масса	167-171	172- 176	177- 181	182 - 186	187- 191	192- 196	197- 201	202- 206	f_x	a_x	$f_x a_x$	$f_x a_x^2$
365-388	. . 2	. . 2		182 - 186					4	-2	-8	16
389-412		L ₆ ¹	.						7	-1	-7	7
413-436		. 2	⊗ ¹⁰	∴ 4					16	0	0	0
437-460		. 1	∩ ⁷	∩ ⁷					15	1	15	15
461-484			. 1	L ₆ ¹	∴ 3				10	2	20	40
485-508				∴ 3	⊗ ¹⁰	. 1			14	3	42	126
509-532						. 2			2	4	8	32
533-556						L ₅ ¹	. 1	. 1	7	5	35	175
f_y	2	11	19	20	13	8	1	1				
a_y	-3	-2	-1	0	1	2	3	4			$\Sigma f_x a_x = 105$	
$f_y a_y$	-6	-22	-19	0	13	16	3	4	$\Sigma f_y a_y = -11$		$\Sigma f_x a_x^2 = 411$	
$f_y a_y^2$	18	44	19	0	13	32	9	16	$\Sigma f_y a_{xc}^2 = 151$			

ТЕМА 4. РАСЧЕТ ОСНОВНЫХ СТАТИСТИЧЕСКИХ ПАРАМЕТРОВ В МАЛОЙ ВЫБОРКЕ

Если в обработке используются данные меньше чем по 30 животных, обработку материалов проводят по малым выборкам

Вычисление средней арифметической \bar{X}

Вычисляют \bar{X} путем суммирования значений всех вариантов ($X_1 + X_2 + X_3 + \dots + X_n$) с последующим делением суммы на количество вариантов

$$\bar{X} = \frac{\sum X}{n},$$

где \bar{X} - средняя арифметическая,
 $\sum X$ - сумма значений вариантов,
 n - объем выборки (количество вариантов).

Например, необходимо определить среднесуточный удой в группе из шести коров, если удои каждой в отдельности составил : 12,3; 10,7; 9,5; 14,5; 13,5; 15,0 (кг)

$$\bar{X} = \frac{12,3 + 10,7 + 9,5 + 14,5 + 13,5 + 15,0}{6} = \frac{75,5}{6} = 12,58 \text{ кг}$$

Вычисление средней взвешенной $X_{взв.}$

Средняя взвешенная представляет собой результат усреднения средних арифметических нескольких совокупностей и вычисляется по формуле:

$$\bar{X}_{взв.} = \frac{\sum \bar{X} \cdot n}{\sum n} = \frac{\bar{X}_1 \cdot n_1 + \bar{X}_2 \cdot n_2 + \dots + \bar{X}_n \cdot n_n}{n_1 + n_2 + \dots + n_n}$$

Где $\bar{X}_1, \bar{X}_2, \bar{X}_n$ – средние арифметические отдельных совокупностей,
 n_1, n_2, n_n – объем совокупностей.

Вычисление среднего квадратического отклонения (σ)

В малочисленных выборках сигма можно рассчитать, используя формулу:

$$\sigma = \pm \sqrt{\frac{\sum (x - \bar{x})^2}{n - 1}}$$

Пример: Обработать данные по глубине груди (см) 10 свиноматок. Рассчитать $\bar{X} \pm m_x$; σ

Глубина груди, см. X	45	46	46	48	50	51	55	57	57	60
Отклонения $x - \bar{X}$	-6,5	-5,5	-5,5	-3,5	-1,5	-0,5	3,5	5,5	5,5	8,5
Квадраты отклонений $(x - \bar{X})^2$	42,25	30,25	30,25	12,25	2,25	0,25	12,25	30,25	30,25	72,2

$$\bar{X} = \frac{515}{10} = 51,5$$

$$\sum X = 515$$

$$\sum (x - \bar{X})^2 = 262,5$$

$$m_x = \frac{\delta}{\sqrt{n-1}} = \frac{5,4}{3} = 1,8 \text{ см}$$

$$\delta = \pm \sqrt{\frac{262,5}{9}} = \pm 5,4$$

$$\bar{X} \pm m_x = 51,5 \pm 1,8 \text{ см}$$

Вычисление коэффициента корреляции и коэффициента регрессии

Коэффициент корреляции определяется по формуле:

$$r = \frac{\sum xy - \frac{\sum x \sum y}{n}}{\sqrt{(\sum x^2 - \frac{(\sum x)^2}{n}) \cdot (\sum y^2 - \frac{(\sum y)^2}{n})}}$$

Коэффициент регрессии:

$$R_{y/x} = \frac{\sum xy - \frac{\sum x \sum y}{n}}{\sum x^2 - \frac{(\sum x)^2}{n}} \quad R_{x/y} = \frac{\sum xy - \frac{\sum x \sum y}{n}}{\sum y^2 - \frac{(\sum y)^2}{n}}$$

Пример 2. Оценить связь удоя за лактацию у матерей (X) и дочерей (Y). (см. таблицу)

Лактационный удои 10 пар мать- дочь

X	Y	X ²	Y ²	X•Y
31,0	33,2	961,00	1102,24	1029,30
32,5	33,4	1056,25	1115,56	1079,00
30,5	33,0	930,25	1089,00	1006,50
37,5	34,1	1406,25	1162,81	1278,75
36,0	34,0	1296,00	1156,00	1224,00
35,0	33,9	1225,00	1149,21	1186,50
34,8	33,9	1211,04	1149,21	1179,72
37,2	34,3	1383,84	1176,49	1275,96
32,4	33,4	1049,76	1115,56	1082,16
30,5	32,9	930,25	1082,41	1003,45
$\sum 337,4$	336,2	114496,40	113032,49	113542,4

По данным таблицы можно оценить коэффициент корреляции между молочной продуктивностью матерей и дочерей:

$$r = \frac{113542,4 - \frac{336,2 \cdot 337,4}{10}}{\sqrt{(114496,40 - \frac{337,4^2}{10}) \cdot (113032,49 - \frac{336,2^2}{10})}} = 0,98$$

Можно сделать заключение, что молочная продуктивность дочерей в большой степени зависит от уровня удоя матерей.

Материал таблицы позволяет рассчитать и коэффициент регрессии:

$$R_{y/x} = \frac{113542,4 - \frac{336,2 \cdot 337,4}{10}}{114496,4 - \frac{337,4^2}{10}} = \frac{118602}{657640} = 0,18$$

Полученные результаты свидетельствуют, что при повышении удоя матерей на 100 кг средняя молочная продуктивность дочерей увеличивается на 18 кг. Другими словами, коэффициент регрессии дочерей на матерей указывает на степень эффективности массовой селекции по отбору матерей.

ТЕМА 5. ЗАКОНОМЕРНОСТИ НАСЛЕДОВАНИЯ ПРИЗНАКОВ ПРИ ПОЛОВОМ РАЗМНОЖЕНИИ

Цель занятия: Изучить закономерности наследования признаков при моногибридном скрещивании.

Мендель впервые установил закономерности передачи признаков из поколения в поколение. Ген - это участок ДНК, управляющий формированием какого-то определенного признака. Гены расположены линейно, вдоль всей хромосомы, как бы образуя цепочку. Место положения гена в хромосоме называется **локусом**. У каждого вида животных и растений в клетках имеется строго определенное число хромосом. Например, у комнатной мухи их 12, у человека - 46. Все хромосомы парные, лишь иногда непарными или неодинаковыми в паре бывают хромосомы определяющие пол. Хромосомы определяющие пол, называются **половыми**, остальные - **аутосомами**. По внешнему строению каждая пара хромосом отличается от других пар размерами и расположением центромера. Парные хромосомы называют еще **гомологичными**. Гены, находящиеся в одних и тех же локусах гомологичных хромосом, образует **аллель** и называются аллельными или аллеломорфами. Аллельные гены определяют альтернативные, т.е. взаимоисключающие признаки. Например, цвет горошины может быть желтым и зеленым. Оба аллельных гена определяют цвет горошины, но один ген ответствен за появление желтого цвета, другой - за появление зеленого.

В связи с тем, что в клетках организма гомологичных хромосом всегда по две, то и генов одного аллеля всегда два. Они могут комбинироваться различным образом.

Например, в обеих хромосомах оба гена определяют желтый цвет, горошины, или в обеих хромосомах гены определяют зеленый цвет горошины, третий вариант - в одной хромосоме ген желтого цвета, в другой - ген зеленого цвета.

Организмы, у которых в гомологичных хромосомах одинаковые гены одного аллеля, называются **гомозиготными** ($\frac{A}{A}$ или $\frac{a}{a}$), у которых разные - **гетерозиготные** ($\frac{A}{a}$).

Ген, признак которого проявляется в гетерозиготном состоянии, называется **доминантным** геном (обозначается прописной буквой - A), а ген действие которого подавлено, - **рецессивным** (обозначается строчной - a). **Генотип** - совокупность генов в организме. **Фенотип** - совокупность признаков, гены которых смогли проявиться. Фенотипически горох может быть желтым и зеленым. Но генотипы желтого гороха разные - они могут быть гомозиготными или гетерозиготными ($\frac{A}{A}$ или $\frac{A}{a}$).

Все соматические клетки организма содержат парный, двойной или **диплоидный** набор хромосом. Половые же клетки, или гаметы, имеют одинарный, или **гаплоидный**, набор хромосом. При образовании половых клеток в процессе мейоза гомологичные хромосомы расходятся в разные гаметы. Так, у гетерозиготного организма с генотипом $\frac{A}{a}$ в одну гамету уйдет хромосома с геном A, в другую - хромосома с геном a. Впоследствии во время оплодотворения при слиянии половых клеток снова восстанавливается диплоидный набор.

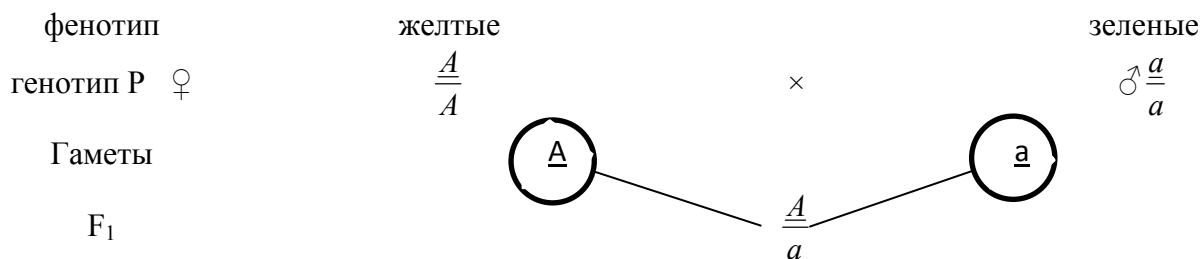
5.1. МОНОГИБРИДНОЕ СКРЕЩИВАНИЕ

Моногибридное скрещивание включает анализ наследования признаков, определяемых лишь одной парой аллельных генов. Мендель определил, что при скрещивании особей, отличающихся одной парой признаков, все потомство фенотипически единообразно. Здесь имеется в виду скрещивание гомозиготных особей, различающихся фенотипически.

Например,

при скрещивании гомозиготного желтого гороха (генотип $\frac{A}{A}$) с гомозиготным зеленым (генотип $\frac{a}{a}$) все потомство будет желтым, но гетерозиготным (генотип $\frac{A}{a}$).

Ход скрещивания изображен на схеме:

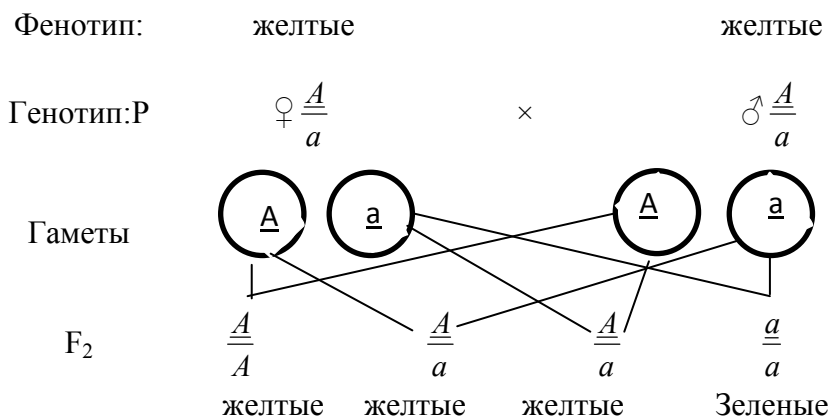


I закон Менделя или закон единообразия гибридов I поколения

Получившиеся гетерозиготные особи называются **гибридом**, поскольку они гетерозиготны по одной паре генов, их называют моногибридами.

Менделем установлено: при скрещивании моногибридов ($\frac{A}{a}$) во втором поколении происходит расщепление признаков на исходные родительские в отношении 3:1. 3/4 потомков оказывается с признаками, обусловленными доминантным геном. 1/4 - с признаками рецессивного гена.

Вторая ступень схемы:



II закон Менделя или закон расщепления

Во втором поколении произошло расщепление по фенотипу:

3 части желтого : 1 часть зеленого
гороха гороха

Расщепление по генотипу:

1 часть потомков гомозиготны по доминантному гену ($\frac{A}{A}$):

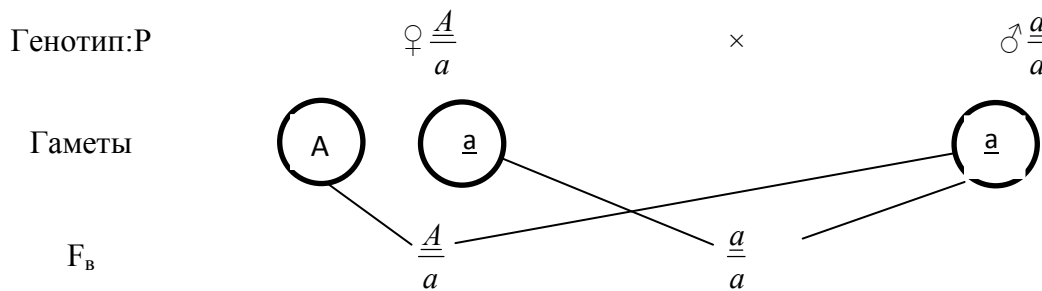
2 части потомков гетерозиготны ($\frac{A}{a}$):

1 часть гомозиготны по рецессивному гену ($\frac{a}{a}$).

Точное расщепление 3:1 можно получить лишь при анализе бесконечно большого числа потомков. В случаях же малого числа их можно говорить только о вероятности появления особей с тем или иным признаком.

Скрещивание гибрида с одной из родительских форм называется **возвратным** скрещиванием или **беккроссом**, а полученное потомство обозначается F_v. Возвратное скрещивание гибрида с особями родительского сорта, имеющей данный признак в рецессивном состоянии, называется **анализирующим** скрещиванием.

Схема анализирующего скрещивания:



Расщепление по фенотипу: 1 : 1

ЗАДАЧИ:

- Плоды томата бывают круглыми и грушевидными. Ген круглой формы доминирует. Каковы генотипы родительских растений, если в потомстве оказалось круглых и грушевидных плодов поровну?

В парниках овощесовхоза высажена рассада томатов, выращенных из гибридных семян. 31 750 кустов этой рассады дали плоды грушевидной формы, а 95 250 кустов - круглой формы.

Сколько среди них гетерозиготных кустов?
- У томатов ген, обуславливающий красный цвет плодов, доминирует над геном желтой окраски.

Какие по цвету плоды окажутся у растений, полученных от скрещивания гетерозиготных красноплодных растений с желтоплодными?
- Серый цвет тела мухи дрозофилы доминирует над черным.

1. В серии опытов по скрещиванию серой мухи с черной получено 117 серых особей и 180 черных.

Определите генотипы родительских форм.

2. При скрещивании серых мух в потомстве оказалось 1398 особи серого цвета и 467 особей черного цвета.

Определите генотипы родительских форм.
- При скрещивании мух дрозофил, имеющих нормальные крылья, получено потомство в числе 3565 особей.

Среди них мух с нормальными крыльями было только 2673, остальные имели загнутые крылья.

Определите генотипы родительских форм.
- При скрещивании нормальных мух между собой в потомстве $\frac{1}{4}$ особей оказалось с уменьшенными глазами. Их скрестили с нормальными мухами и получили 37 особей с уменьшенными глазами и 39 с нормальными.

Определите генотипы скрещиваемых в обоих опытах мух.
- При скрещивании серых кур с белыми все потомство оказалось серым. В результате второго скрещивания этого серого потомства опять с белыми получено 172 особи, у которых было 85 белых и 87 серых.

Каковы генотипы исходных форм и их потомков в обоих скрещиваниях?

7. Ген черной окраски крупного рогатого скота доминирует над геном красной окраски.
Какое потомство можно ожидать от скрещивания гетерозиготных особей крупного рогатого скота?
Какие телята рождаются от красного быка и помесных коров?
8. У крупного рогатого скота ген комолости (безрогости) доминирует над геном рогатости.
Какое потомство можно ожидать от скрещивания рогатого быка с гомозиготными комолыми коровами?
Какое потомство можно ожидать от скрещивания комолого быка с рогатой коровой, если известно, что в прошлом корова принесла от этого же быка рогатого теленка?
9. У собак черный цвет шерсти доминирует над коричневым. Черная самка несколько раз скрещивалась с коричневым самцом. Всего было получено 15 черных и 13 коричневых щенков.
Определите генотипы родителей и потомства.
10. Две черные самки мыши скрещивались с коричневым самцом. Одна самка в нескольких пометах дала 20 черных и 17 коричневых потомков, вторая 33 черных.
Определите генотипы родителей и потомства.
11. У морских свинок гладкая шерсть определяется рецессивным геном, всклокоченная – доминантным.
Скрещивание двух свинок с всклокоченной шерстью дало 36 особей с всклокоченной шерстью и 11 гладких. Сколько среди них гомозиготных особей?
Морская свинка с всклокоченной шерстью при скрещивании с гладкошерстной особью дала 28 всклокоченных и 26 гладких потомков. Определите генотипы родителей и потомства.
12. На звероферме получен приплод в 225 норок. Из них 167 норок имеет коричневый мех и 58 – голубовато-серый.
Определите генотипы исходных форм, если известно, что коричневый цвет доминирует над голубовато-серым.
13. У человека ген, вызывающий одну из форм наследственной глухонемой, рецессивен по отношению к гену нормального слуха.
Какое потомство можно ожидать от брака гетерозиготных родителей?
От брака глухонемой женщины с нормальным мужчиной родился глухонемой ребенок. Определите генотипы родителей.
14. Альбинизм наследуется у человека как аутосомный рецессивный признак. В семье, где один из супругов альбинос, а другой нормален, родились разнояйцевые близнецы, один из которых альбинос. Какова вероятность рождения следующего ребенка альбиносом?
15. Отсутствие малых коренных зубов наследуется как доминантный аутосомный признак.
Какова вероятность рождения с аномалией в семье, где оба родителя гетерозиготны по анализируемому признаку?
16. Белая масть тонкорунных овец (A) доминирует над черной (a) мастью северных короткохвостых овец. Подозревается, что среди тонкорунных баранов,

имеются особи, гетерозиготные по масти. Можно ли проверить это, если имеются несколько черных маток.

17. Среди цыгайских овец обнаружен баран с короткими ногами. В приплоде этого барана около половины ягнят были коротконогими. Как наследуется коротконовость?
18. От скрещивания рогатого барана с рогатыми овцами получено: от одной – два рогатых потомка, от другой – один рогатый и один комолый. При скрещивании того же барана с комолой овцой получено два потомка, оба безрогие. Как наследуется рогатость у овец? Каковы генотипы у родителей и потомков?
19. У лошадей существует масть паломино - золотисто-желтое туловище, светлая грива и хвост. Эта масть появляется при скрещивании альбиносов с особями гнедой масти. Паломино «при разведении в себе» дает потомство в соотношении:
1 альбинос: 2 паломино: 1 гнедая.
Определите форму наследования масти.
20. У лошадей есть наследственная болезнь гортани, выражающаяся, характерным хрипом при беге. От больных родителей иногда рождаются здоровые жеребята. Доминантна или рецессивна эта болезнь?
21. От чего легче избавиться в стаде кур - от рецессивного признака (листовидный гребень) или доминантного (оперение ноги). Эти гены находятся в различных негомологичных хромосомах.

5.2. ДИ- И ПОЛИГИБРИДНОЕ СКРЕЩИВАНИЕ

Цель занятия: Изучить закономерности наследования признаков при дигибридном и полигибридном скрещивании.

Любой организм всегда гетерозиготен по многим аллелям. Однако для исследователя важно, сколько пар аллельных генов подвергается анализу. Если одна пара, скрещивание называют моногибридным, если две пары - дигибридным, три - тригибридным и т.д.

При скрещивании ди- и полигибридов в потомстве появляются различные комбинации признаков, которых не было у родителей. Мендель установил, что при скрещивании ди- и полигибридов во втором поколении происходит расщепление каждой пары признаков, независимо друг от друга, в отношении 3:1. Случаи независимого расщепления возможны тогда, когда гены каждой из анализируемых пар признаков находятся в разных парах хромосом.

Нужно иметь в виду, что число возможных вариантов гамет равно 2^n , где n - число гетерозиготных пар генов. У моногибридов возможно лишь 2 типа гамет (2^1), у дигибридов - 4 (2^2), у тригибридов - 8 (2^3). Например,

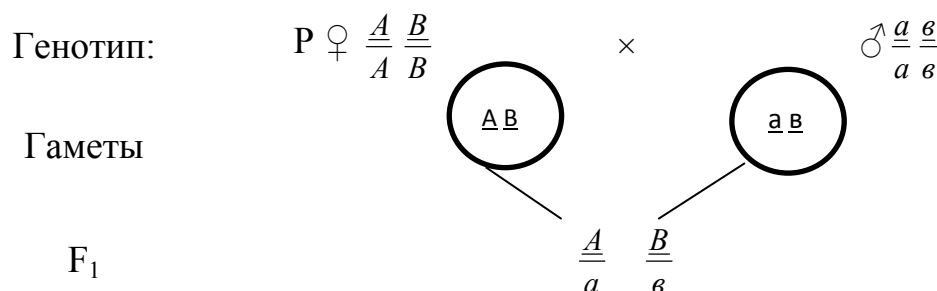
Генотип	Число возможных гамет 2^n		Типы гамет
Моногибрид	$\frac{A}{a}$	$2^1 = 2$	\textcircled{A} \textcircled{a}
Дигибрид	$\frac{A}{a} \quad \frac{B}{b}$	$2^2 = 4$	\textcircled{AB} \textcircled{Ab} \textcircled{aB} \textcircled{ab}
Тригибрид	$\frac{A}{a} \quad \frac{B}{b} \quad \frac{C}{c}$	$2^3 = 8$	\textcircled{ABC} \textcircled{ABc} \textcircled{AbC} \textcircled{Abc} \textcircled{aBC} \textcircled{aBc} \textcircled{aBc} \textcircled{abc}

Схема скрещивания гороха различающегося по двум парам признаков цвету и форме горошины.

- A - ген желтого цвета
- a - ген зеленого цвета
- B- ген гладкой формы горошины
- b - ген морщинистой формы

Фенотип: желтый, гладкий

зеленый, морщинистый



все потомство по фенотипу: желтые, гладкие;
по генотипу: дигетерозиготные.

Скрещиваются дигибриды между собой.

Фенотип: желтые, гладкие

желтые, гладкие



F₂ по фенотипу получается потомство четырех классов:

Части	Фенотип	Возможные генотипы
9	Желтые гладкие	$\frac{A}{A} \frac{B}{B}$; $\frac{A}{A} \frac{b}{b}$; $\frac{a}{a} \frac{B}{B}$; $\frac{a}{a} \frac{b}{b}$
3	Желтые морщинистые	$\frac{A}{A} \frac{b}{b}$; $\frac{a}{a} \frac{b}{b}$
3	Зеленые гладкие	$\frac{a}{a} \frac{B}{B}$; $\frac{a}{a} \frac{b}{b}$
1	Зеленые морщинистые	$\frac{a}{a} \frac{b}{b}$

Каждая пара альтернативных признаков ведет себя в ряду поколений независимо друг от друга, в результате чего среди потомков второго поколения в определенном соотношении появляются, особи с новыми (по отношению к родительским) комбинациями признаков - III закон Менделя или закон независимого комбинирования (наследования) признаков.

Решение задач на ди- и полигибридное скрещивание во многих случаях может производиться без вычерчивания решетки Пеннета. хотя решетка всегда дает более наглядную картину. Во всех случаях важно помнить ряд положений.

Генотип	Число возможных комбинаций гамет, что соответствует числу клеточек в решетке Пеннета 4^n	Возможное число классов фенотипов 2^n	Возможное число вариантов генотипов 3^n
	$4^1 = 4$	$2^1 = 2$	$3^1 = 3$
$\frac{A}{a}$	$\frac{A}{A}$; $\frac{A}{a}$; $\frac{a}{a}$; $\frac{a}{a}$		$\frac{A}{A}$; $\frac{A}{a}$; $\frac{a}{a}$
$\frac{A}{a} \frac{B}{b}$	$4^2 = 16$	$2^2 = 4$	$3^2 = 9$ $\frac{A}{A} \frac{B}{B}$; $\frac{A}{A} \frac{b}{b}$; $\frac{a}{a} \frac{B}{B}$; $\frac{a}{a} \frac{b}{b}$ $\frac{a}{a} \frac{B}{B}$; $\frac{a}{a} \frac{b}{b}$; $\frac{a}{a} \frac{b}{b}$; $\frac{A}{a} \frac{b}{b}$; $\frac{A}{a} \frac{b}{b}$
$\frac{A}{a} \frac{B}{b} \frac{C}{c}$	$4^3 = 64$	$2^3 = 8$	$3^3 = 27$

ЗАДАЧИ:

- В небольшом стаде чистопородных герефордов от быка Принца Ларри и 6 коров получено 6 телят, в том числе два карлика и три альбиноса. Две коровы были полными сестрами, а две - полусестрами быка Принца Ларри. Фенотипы полученного потомства:
от коровы 1 - альбинос, карлик;
от коровы 2 - не альбинос, карлик;
от коровы 3 - альбинос, не карлик;
от коровы 4 - не альбинос, не карлик;

от коровы 5- альбинос, не карлик;
от коровы 6- не альбинос, не карлик.

Как можно объяснить природу альбинизма и карликовости в этом стаде? Как наследуются эти признаки? Кто из родителей мог передать гены альбинизма и карликовости? Какие рекомендации можно дать в отношении дальнейшего использования быка?

2. У свиней ген белой щетины полностью доминирует над черной, а сrostнопалость - над геном двупалости.
Имеются два белых хряка (А и В) со сrostнопалыми ногами.
Хряк А при скрещивании с любыми свиньями дает белое потомство, но при скрещивании с двупалыми половина потомства оказывается однопалым, половина - двупалым. Хряк В при скрещивании с черными свиньями дает половину белого и половину черного потомства, а при скрещивании со свиньями, имеющими двупалость, только однопалых потомков. Определите генотипы хряков, начертите схему скрещивания. Чем отличаются хряки друг от друга?
3. Гомозиготная рыжая двупалая свиноматка от скрещивания с черным однопалым хряком дала потомство, состоящее исключительно из черных однопалых животных. Возвратное скрещивание F_1 с рыжими двупалыми хряками дало 10 черных однопалых, 9 рыжих однопалых, 11 черных двупалых и 10 рыжих двупалых поросят. Определите генотип хряка и маток. Как наследуется однопалость? Как наследуются черная и рыжая масти? Можно ли создать линию однопалых рыжих свиней, не расщепляющихся по этим признакам?
4. У крупного рогатого скота ген комолости доминирует над геном рогатости, а ген черного цвета - над красным. Обе пары генов не сцеплены, т.е. находятся в разных парах хромосом.
 1. Скрещивается гетерозиготный по обоим признакам черный комолый бык с такой же коровой. Какими окажутся телята?
 2. В племсовхозе в течение ряда лет скрещивались черные комолые коровы с черным комолым быком. Было получено 896 голов молодняка, из них было 535 телят черных комолых и 161 - красных комолых. Сколько было рогатых телят и какая часть из них красного цвета?
 3. В хозяйстве от 1000 рогатых красных коров получено 984 теленка. Из них красных 472, комолых 483, рогатых 501. Определите генотипы родителей и процент черных телят.
5. У собак черный цвет шерсти доминирует над кофейным, а короткая шерсть над длинной. Обе пары генов находятся в разных хромосомах.
Какой процент черных короткошерстных щенков можно ожидать от скрещивания двух особей, гетерозиготных по обоим признакам?
Охотник купил собаку черную с короткой шерстью и хочет быть уверен, что она не несет генов кофейного цвета и длинной шерсти. Какого партнера по фенотипу и генотипу надо подобрать для скрещивания, чтобы проверить генотип купленной собаку?
6. У плодов арбуза корка может быть зеленая или полосатая, форма плода - длинная или круглая. Гомозиготное растение с длинными зелеными плодами

скрещено с гомозиготным же, имеющим круглые полосатые плоды. В F_1 плоды круглые зеленые. Какие будут в F_2 ?

Какие будут плоды в F_3 ? Что получится в F_1 и F_2 при скрещивании сортов с круглыши зелеными и длинными зелеными плодами?

7. У морской свинки курчавая шерсть определяется геном R , гладкая - r , короткая - L , длинная - l , черная окраска - B , белая - b . Какое будет F_1 и F_2 при скрещивании свинок, различающихся по аллелям всех трех генов? Что получится при скрещивании гибрида F_1 с гладко- и длинношерстной белой свинкой?
8. Самец морской свинки, имеющий длинную черную курчавую шерсть, скрещен с самкой, шерсть которой курчавая короткая и белая. В нескольких пометах этой пары получено 15 курчавых короткошерстных и черных свинок, 13 курчавых длинношерстных черных, 4 гладких короткошерстных черных и 5 гладких длинношерстных черных. Каковы генотипы родителей? Какое ожидается отношение различных классов?
9. У кур черная окраска оперения определяется геном E , бурая - e , наличие хохла - C , отсутствие - c . Бурый хохлатый петух скрещен с черной курицей без хохла. В их потомстве половина цыплят черных хохлатых и половина бурых хохлатых. Каковы генотипы родителей - петуха и курицы?
10. Курица и петух черные хохлатые. От них получено 13 цыплят: 7 черных хохлатых, 3 бурых хохлатых, 2 черных без хохла и 1 бурый без хохла. Каковы генотипы петуха и курицы?
11. У кур белое оперение доминирует над окрашенным, оперенность голени - над голостью, гороховидный гребень над листовидным. Скрещена гомозиготная белая с оперенными ногами и гороховидным гребнем курица с окрашенным голоногим с листовидный гребнем петухом. Какая часть белых оперенных с гороховидным гребнем потомков F_2 от этого скрещивания не даст расщепления при скрещивании с окрашенными голоногими с простым гребнем птицами?
12. Если отец глухонемой (рецессивный признак) с белым локоном надо лбом (доминантный признак), мать здорова и не имеет белой пряди, а ребенок родится глухонемой и с белым локоном надо лбом, то можно ли сказать, что он унаследовал признак от отца?
13. Мать имеет свободную мочку уха (доминантный признак) и гладкий подбородок, а отец - несвободную мочку уха и треугольную ямку на подбородке (доминантный признак). Сын имеет свободную мочку уха и треугольную ямку на подбородке, а дочь имеет те же признаки, что у матери. Напишите возможные генотипы родителей и детей.
14. Отец с курчавыми волосами (доминантный признак) и без веснушек и мать с прямыми волосами и с веснушками (доминантный признак) имеют троих детей. Все дети имеют веснушки и курчавые волосы. Напишите генотипы родителей и детей.
15. Если женщина с веснушками и с волнистыми волосами, отец которой не имел веснушек и имел прямые волосы, выходит замуж за мужчину с веснушками и прямыми волосами оба родителя его имели такие же признаки), то какие дети у них могут быть?

Тема 6. МНОЖЕСТВЕННЫЙ АЛЛЕЛОМОРФИЗМ

Цель занятия: Ознакомление с явлением множественного аллеломорфизма и особенностями его наследования.

Ген в популяции может мутировать не один раз, а три, четыре и больше, образуя серию аллелей A , a_1 , a_2 и т.д. Такое явление получило название **множественного аллелизма** или **аллеломорфизма**.

У каждой особи аллельных генов может быть не более двух, но в популяции их число практически неограниченно.

Наследование групп крови человека в системе АВО.

У человека группы крови определяются тремя аллелями одного локуса. Гены принято записывать I^A , I^B и I^O . В различных сочетаниях генов образуются четыре группы крови: первая с генотипом $I^O I^O$, вторая - $I^A I^A$ или $I^A I^O$, третья - $I^B I^B$ или $I^B I^O$, четвертая - $I^A I^B$. Определение групп крови имеет большое значение не только в медицине, но и в судебно-следственной практике.

ЗАДАЧИ:

1. У кроликов гены нескольких типов окраски находятся в одних и тех же локусах и являются видоизменениями доминантного гена, дающего дикий (сплошной) тип окраски. Ген дикой окраски (C) доминирует над всеми остальными окрасками. Гены шиншилловой (c^{ch}) и гималайской (c^h) окрасок доминируют над геном альбинизма (c). Гетерозиготы от шиншилловой и гималайской окрасок ($c^{ch} c^h$) светло-серые.

Селекционер скрещивал кроликов шиншилловой окраски с гималайскими. Все первое поколение было светло-серым. Полученные гибриды скрещивались между собой. При этом получено 99 крольчат светло-серых, 48 гималайских и 51 шиншилловых. Составьте генотипы родителей и потомков первого и второго поколений.

2. Зверовод-любитель, желая создать стадо из кроликов светло-серой окраски, скрещивал их между собой, но получал только половину светло-серых крольчат, остальные были гималайской и шиншилловой окрасок. Составьте генотип скрещиваемых животных и их потомков.

3. Школьники в живом уголке скрестили кроликов дикой окраски с гималайскими и получили 81 крольчонка. Из них было 41 с окраской дикого типа, и 19 гималайских и 21 альбинос.

Определите генотипы родительских форм и потомков.

4. Юннаты скрещивали кроликов шиншилловой окраски с гималайскими. В приплоде оказалось по 25% светло-серых, шиншилловых, гималайских и альбиносов. Определите генотипы родителей и крольчат.

5. На ферме имеются гималайские самки и шиншилловые самцы. При скрещивании они дают 25% альбиносов, которые хозяйству нежелательны. Какой должен быть генотип самцов, чтобы свести на нет появление альбиносов?

6. Родители имеют II и III группы крови. Какие группы крови можно ожидать у их детей?

7. Мать со II группой крови имеет ребенка с I группой крови.

Установите возможные группы крови отца.

8. У матери I группа крови, у отца IV. Могут ли дети унаследовать группу крови одного из своих родителей?

9. У мальчика I группа крови, а у его сестры IV. Определите группы крови родителей.

10. В родильном доме перепутали двух мальчиков. Родители одного из них имеют I и II группы крови, родители другого – II и IV. Исследование показало, что дети имеют I и IV группы крови. Определите, кто чей сын.

11. У родителей со II группой крови родился сын с I группой крови и гемофилик. Оба родителя не страдают этой болезнью.

12. У нутрий известна серия аллелей локуса T : T > t^s > t^r > t^a.

T - ген, осветляющий окраску до белого; t^s - контролирует развитие бежевой окраски; t^r - розовой; t^a - обуславливает серовато-коричневый налёт; Tt^a - осветленные участки остевых волос белые, шкурки имеют серебристый вид; t^r t^r - розовые; t^s t^s - бежевые; гетерозиготы Tt^s Tt^r серебристой окраски (белые); t^s t^a - компаунды.

При спаривании гетерозиготных белых итальянских нутрий серебристой окраски с самцами бежевой окраски в F₁ получили 42 серебристых и 44 перламутровых нутрий-компаундов с серо-дымчатым оттенком. При разведении "в себе" в F₂ произошло расщепление на перламутровых, бежевых и белых. Как наследуется масть у нутрий? Определите генотипы потомства в F₁ и F₂.

Тема 7. ВЗАИМОДЕЙСТВИЕ НЕАЛЛЕЛЬНЫХ ГЕНОВ

Цель занятия: изучить различные типы взаимодействия неаллельных генов.

Установлены следующие типы взаимодействия неаллельных генов:

а) для становления (формирования) и развития признака необходимо взаимодействующее взаимодействие двух или нескольких ферментов, образование которых контролируют два или несколько неаллельных генов (конкретными формами взаимодействия генов данного типа являются новообразование, комплементарность и криптомерия);

б) ферменты, образующиеся под контролем одного гена, полностью подавляют, нейтрализуют или искажают действие фермента (или нескольких ферментов), образующегося под контролем другого (или других) неаллельного (-ных) генов (эпистаз);

в) ферменты, образующиеся под контролем нескольких разных неаллельных генов, действуют на один и тот же процесс одинаково (сходно, однозначно) и таким образом, что их совместное присутствие в генотипе особи обуславливает возникновение и усиление проявления признака, формирующегося под влиянием этого процесса, т.е. накапливающееся действие фермента (полимерия);

г) модифицирующее взаимодействие генов.

ЗАДАЧИ:

1. От спаривания самок дрозофилы, имеющих коричневые глаза, с самцами, имеющих ярко-красные глаза, в F_1 получено потомство с нормальными (красными) глазами, а в F_2 наблюдалось следующее расщепление: ярко-красные глаза имело 108 особей; белые глаза – 32; коричневые глаза -101 и нормальные (красные) – 315. Определите генотипы родителей и потомства и объясните полученные результаты.

2. У мышей ген C вызывает образование черного пигмента, а c – его отсутствие (альбинизм). Другой ген – A – определяет зональное распределение пигмента по длине волоса, а его аллель a – сплошное (равномерное). Мыши « $C...A...$ » имеют серую (дикую) окраску – агути. Каков будет фенотип мышей в F_1 и в F_2 при спаривании (реципрокные варианты) черных мышей с белыми и каким будет расщепление в F_2 .

3. Кролики породы баран имеют висячие уши длиной около 30 см. Допустим, что различия в длине ушей зависят от двух пар генов с однозначным (аддитивным) действием. Генотип чистопородных кроликов породы баран – $L_1L_1L_2L_2$, а в обычных – $l_1l_1l_2l_2$. определите длину ушей кроликов в F_1 и в F_2 .

4. У собак породы доберман-пинчер ген B вызывает черную окраску шерсти, а b – коричневую (кофейную). Ген D – усилитель – определяет интенсивность окраски (распределение пигмента в корковом и мякотном веществе волоса), ген d – ослабитель (пигмент имеется только в мякотном веществе, а в корковом – лишь отдельные его вкрапления, что придает волосу голубую окраску).

При спаривании кофейных самок ($bbDD$) с голубыми самцами ($BBdd$) в F_1 рождаются только черные потомки. В каком соотношении в F_2 появятся черные, голубые и кофейные разных оттенков щенки?

5. Куры, имеющие простой гребень, были спарены с 3 петухами, имеющими ореховидный гребень. В одном случае все цыплята имели ореховидный гребень. В другом – у одного был простой гребень. В третьем – у одной части потомков был ореховидный гребень, а у другой – гороховидный. Каковы генотипы родителей и всех потомков?

6. Куры с оперенными ногами и розовидным гребнем были спарены с голоногим петухом, имевшим гороховидный гребень. Среди полученных цыплят оказалось 25 оперенных с гороховидным, 24 оперенных с ореховидным, 26 оперенных с розовидным и 22 оперенные с простым гребнем. Каковы генотипы родителей и потомков.

7. Белая курица с оперенными ногами и ореховидным гребнем спарена с белым голоногим петухом, имевшим гороховидный гребень. После инкубации яиц был получен черный голоногий цыпленок с простым гребнем. Определите генотипы родителей. Какая часть цыплят будет походить на каждого из родителей?

8. Овцы одной из длинношерстных пород имеют длину шерсти в среднем 40 см, а другой породы – 10 см. Допустим, что различия между длиной шерсти у животных этих пород зависят от трех пар генов с однозначным действием. Каковы будут F_1 и F_2 ?

9. При скрещивании серых гуппи с нормальным спинным плавником с бе-

лыми, имеющими длинный спинной плавник «шарф», в первом поколении получили серых рыб с плавником «шарф», а в F_2 расщепление:

129 серых с плавником «шарф»
35 серых с нормальным плавником
40 голубых с плавником «шарф»
20 голубых с нормальным плавником
32 светлых с плавником «шарф»
10 светлых с нормальным плавником
12 белых с плавником «шарф»
5 белых с нормальным плавником
283

Как наследуются признаки? Определите генотипы исходных рыб. Что получится в анализирующем скрещивании, и каких рыб вы будете использовать в качестве анализатора? Что получится, если скрестить голубых и белых рыб с F_2 плавником типа «шарф»?

10. При скрещивании тыкв с белыми плодами в F_1 получили 67 растений с белыми, 19 – с желтыми и 6 – с зелеными плодами. Объясните результаты, определите генотипы исходных растений. Что получится, если скрестить исходные растения с зеленоплодными из F_1 ?

11. У пастушьей сумки форма плода зависит от двух пар полимерных генов. Растение с треугольными плодами скрещено с растением с яйцевидными плодами. В потомстве $\frac{3}{4}$ растений имели треугольные плоды и $\frac{1}{4}$ - яйцевидные. Определите генотипы родителей. Что получится от самоопыления родительского растения с треугольными плодами?

12. Скрещиваются два растения душистого горошка - с белыми пазушными и белыми верхушечными цветками.

F_1 все растения с пурпурными пазушными цветками
 F_2 415 растений с пурпурными пазушными
140 - с пурпурными верхушечными
350 – с белыми пазушными
95 - с белыми верхушечными
1000

Как наследуются данные признаки? Какое растение следует взять, чтобы поставить анализирующее скрещивание? Какие результаты вы ожидаете при этом получить?

13. У человека врожденная глухота может определяться генами d и e . Для нормального слуха необходимо наличие в генотипе обеих доминантных аллелей (DE). Определите генотипы родителей в следующих двух семьях:

а) оба родителя глухи, а их 7 детей имеют нормальный слух; б) у глухих родителей 4 глухих ребенка.

14. Цвет кожи человека определяется взаимодействием нескольких пар генов по типу кумулятивной полимерии, т.е. цвет кожи тем темнее, чем больше доминантных генов в генотипе. Потомка негра и белого называют мулатом. Если негритянка ($AABB$) и белый мужчина ($aabb$) имеют детей, то в какой пропорции можно ожидать появления детей полных негров, мулатов и белых?

15. Если два мулата ($AaBb$) имеют детей, то можно ли ожидать среди них полных негров? Белых? Мулатов? Какую долю составят дети каждого типа?

Можно ли ожидать у супругов негров детей более светлых, чем они сами?

Можно ли ожидать от белых родителей детей более темных, чем они сами?

Могут ли два светлокожих негра иметь детей более темных, чем они сами? Или более светлых? Почему?

Чья кожа темнее: $AAbb$, $AaBb$, $aaBB$?

16. При скрещивании кур породы белой леггорн (ИСС) с петухом породы белый плимутрок ($iiсс$) в F_2 наряду с белыми появляются окрашенные потомки в соотношении примерно 13 белых и 3 черных. В этом случае доминантный ген I является ингибитором другого доминантного гена C черного оперения. Пояснить эту форму наследования.

17. При спаривании самок серебристо-голубых ($AApp$) с самцами алеутских ($aaPP$) в потомстве получают стандартных норок.

При спаривании между собой стандартных норок в F_2 ожидается получить алеутских ($aaP\dots$), серебристо-голубых ($A..pp$), сапфировых ($aapp$), стандартных ($A..P\dots$). Каково соотношение норок различной окраски?

18. При скрещивании некоторых белококонных пород тутового шелкопряда между собой в F_1 бывают только желтококонные особи. В F_2 происходит расщепление на белые и желтые коконы в соотношении 7:9. Чем объяснить такое наследование?

Тема 8. ЛЕТАЛЬНОЕ И ПОЛУЛЕТАЛЬНОЕ ДЕЙСТВИЕ ГЕНОВ

Цель занятия: ознакомиться с разнообразием в проявлении летальных генов.

Гены и хромосомные нарушения, вызывающие гибель организма до достижения им половой зрелости, называются летальными. Действие летальных генов может проявляться на любой стадии онтогенеза, чаще в эмбриональный период или вскоре после рождения.

ЗАДАЧИ:

1. Французский зоолог Кено обнаружил, что при спаривании между собой жёлтых мышей среди потомства всегда наблюдается расщепление на 2 части жёлтых и 1 часть не жёлтых. От скрещивания жёлтых с не жёлтыми соотношение потомства по окраске было 1:1. Обобщение материалов исследований по этому вопросу дало следующие результаты:

Родители	Потомство		Расщепление по фенотипу
	желтое	не желтое	
Желтый × желтый	2386	1235	2 : 1
Желтый × не желтый	2378	2398	1 : 1

Объясните причину такого расщепления.

2. У норок ген F вызывает серебристо-соболиную окраску (дыхание весны,

или бос -ость серебристая, а подпушь – светло-голубая), но в тоже время имеет рецессивное летальное действие. Какой генотип имеют взрослые особи окраски бос? Каким будет расщепление при спаривании их между собой?

3. От спаривания серебристо-соболиных самок со стандартными (темно-коричневыми) самцами в потомстве было получено 345 серебристо-соболиных и 325 стандартных щенков. Средняя величина помета была 5,11 щенка. При спаривании между собой серебристо-соболиных животных было получено 19 серебристо-соболиных и 10 стандартных щенков при получении в среднем 3,65 щенка. Как объяснить эти результаты?

4. У разводимых в неволе лисиц ген Р вызывает появление платиновой окраски меха и обладает рецессивным летальным действием. Его рецессивный аллель р вызывает серебристо-черную окраску. Каков генотип взрослых платиновых зверей? Можно ли разводить их «в себе» без отхода? Как?

5. В Швеции у собак породы фокстерьер встречается нервное заболевание (мозжечковая атаксия), которое проявляется в возрасте 4-6 месяцев и, хотя оно не смертельно, но препятствует в дальнейшем свободному передвижению больных животных. В 23 пометах родился 91 щенок, этот дефект наблюдался у 25. Какой вывод можно сделать из этих данных о генетической обусловленности атаксии у фокстерьеров?

6. При спаривании хохлатых уток и селезней утята выводятся только из $\frac{3}{4}$ яиц, а $\frac{1}{4}$ эмбрионов гибнет перед вылупливанием. Среди вылупившихся утят примерно $\frac{2}{3}$ хохлатых и $\frac{1}{3}$ нормальных. В чем причина этого? Каким будет потомство от спаривания нормальных уток с хохлатыми селезнями?

7. У кур рецессивный аутосомный ген «кротовидность» (t) в гомозиготном состоянии вызывает гибель эмбрионов на 8-11 день инкубации. У таких эмбрионов крылья сильно укорочены и имеют до 9-10 пальцев, что делает их похожими на лапу крота, ноги и позвоночник укорочены, развитие оперения полностью подавлено и т.д. Какое количество цыплят выведется из 4000 заложенных в инкубатор яиц, полученных от гетерозиготных по этому гену кур и петухов?

8. При спаривании между собой коротконогих кур и петухов было получено 775 коротконогих и 388 нормальных (по длине ног) цыплят. От реципрокных вариантов спаривания коротконогих птиц с нормальными получено 1676 коротконогих цыплят и 1661 с нормальной длиной ног. Как можно объяснить причину этого явления?

9. Ген коротконогости Ср одновременно вызывает укорочение клюва. У гомозиготных по этому гену цыплят клюв так мал, что они не в состоянии проклюнуть скорлупу и гибнут, не вылупившись из яйца. В инкубатории хозяйства, разводящего только коротконогих птиц, получено 3000 цыплят. Сколько из них коротконогих? Сколько яиц было заложено в инкубатор?

10. Только из $\frac{3}{4}$ яиц, полученных от коротконогих кур и петухов, выводятся цыплята, а $\frac{1}{4}$ эмбрионов погибает. Среди вылупившихся цыплят примерно $\frac{2}{3}$ коротконогих и $\frac{1}{3}$ с нормальными ногами. Каково будет потомство от спаривания коротконогих петухов и кур с птицей, имеющей нормальные ноги?

11. Среди скота мясного направления (геррефорды, абердин-ангуссы и шортгорны) имеется ген, вызывающий карликовость. У этих животных небольшой рост, раздутое туловище, тяжелое дыхание, пониженная жизнеспособность и т.п.

Результаты исследований наследования этого признака в стадах США дали

следующие цифры:

Опытная станция	Родилось телят, гол	
	нормальных	карликовых
Штат Аризона	66	24
Штат Калифорния	46	15
Штат Айова	197	69
Итого:	309	108

Как наследуется этот признак? Как обнаружить наличие этого гена у животных? Каких по генотипу животных следует спаривать, чтобы избежать получения карликовых потомков? Насколько фактическое расщепление соответствует теоретически ожидаемому?

12. Было установлено, что бык Амор норвежской голландской породы при спаривании со своими дочерьми дал 55 телят, из которых 11 имели сильно укороченный позвоночник и другие дефекты (пока не была выяснена генетическая причина этого дефекта, такие телята считались потомками лосей). Эти телята погибали. Как генетически объяснить наследование этого дефекта?

13. У скота породы декстер ген D вызывает укороченность головы, ног и улучшает его мясные формы. Но в гомозиготном состоянии DD, обладая летальным действием, приводит к гибели организма в утробный период или вскоре после рождения. Каким будет расщепление при спаривании двух гетерозиготных животных? При анализирующем скрещивании? Каких по генотипу животных следует спаривать, чтобы избежать отхода?

14. Ген We вызывает у овец каракульской и сокольской пород серую окраску смушки –ширази. От спаривания серых каракульских маток с серыми баранами было получено 8424 серых и 2811 черных ягнят. Затем из оставленных на племя серых ягнят пало 33,6 %, черных – только 2,2%. В чем причина такой большой гибели серых ягнят? Как наследуется серая масть? Каких животных надо спаривать между собой, чтобы избежать гибели части серых ягнят?

Тема 9. СЦЕПЛЕННОЕ НАСЛЕДОВАНИЕ И КРОССИНГОВЕР

Цель занятия: изучить наследование при полном и неполном сцеплении.

Гены в хромосоме располагаются линейно на определенном расстоянии друг от друга. Гены, находящиеся в одной и той же хромосоме называются *сцепленными* и образуют *группу сцепления*. Сцепление генов – это совместное наследование генов, расположенных в одной и той же хромосоме. Число групп сцепления соответствует гаплоидному числу хромосом. Например, у дрозофилы 4 группы сцепления, у человека - 23, у крупного рогатого скота - 30, у свиней – 19 и т.д.

При полном сцеплении, гены, расположенные в одной хромосоме, всегда передаются вместе. Полное сцепление установлено у самцов дрозофилы и самок тутового шелкопряда.

Обмен гомологичных хромосом участками называется *перекрестом* или *кроссинговером*. Кроссинговер ведет к перегруппировке генов, так что гены, которые раньше были сцеплены оказываются теперь в разных хромосомах. Особей с новыми

сочетаниями признаков назвали *кроссоверами*.

ЗАДАЧИ:

1. Какие различия в соотношении гамет будут наблюдаться у организмов, имеющих следующие генотипы:

$$\text{а) } \frac{A}{a} \frac{B}{b} \quad ; \quad \frac{A b}{a B} \quad ; \quad \frac{A B}{A b} \quad ?$$

2. Дигетерозигота (AaBb) скрещена с двойным рецессивом (aabb). Было получено следующее количество потомков: A...B... - 903, aaB... - 102, A...bb - 98, aabb - 898. Объясните результаты. Какова сила сцепления между генами А и В? Какое соотношение потомков было бы в случае независимого наследования этих генов?

3. У кроликов пятнистость и нормальный тип шерстного покрова (короткошерстность) доминирует над сплошной пигментацией шерсти и ангорским (длинным) типом шерстного покрова. От скрещивания пятнистых крольчих с нормальной шерстью с кроликами, имеющими сплошную пигментацию, с ангорской шерстью, в потомстве получили: 150 особей со сплошной пигментацией и ангорским типом шерсти, 157 пятнистых особей с нормальной шерстью 24 с нормальной шерстью и сплошной пигментацией, 26 пятнистых особей с ангорской шерстью. Как наследуются эти признаки? Какие типы гамет образуются у родителей? Какие генотипы ожидаются у потомства?

4. У кур ген *S* определяет серебристую пигментацию пера, а *Dw* – нормальные размеры тела. Ген *s* определяет золотистую окраску, а *dwdw* – карликовость. При анализирующем скрещивании получено потомство: 12 серебристых нормальных, 12 золотистых карликовых; 184 золотистых нормальных и 184 серебристых карликовых. Провести полный генетический анализ. Определить процент кроссинговера.

5. У кур коротконогость *Cr* доминирует над нормальными ногами *cr*, а розовидный гребень *R* над листовидным *r*. От кур с листовидным гребнем, нормальными ногами и коротконогостого петуха с розовидного гребнем получено потомство: коротконогих с листовидным гребнем – 112, с нормальными ногами и розовидным гребнем – 118, коротконогих с розовидным гребнем – 9, с нормальными ногами и листовидным гребнем – 11. Определить расстояние между генами *Cr* и *R* в хромосомах. Как сочетаются гены *Cr*, *cr*, *R* и *r* у дигибридного петуха?

6. В анализирующем скрещивании от гетерозиготы AaBb были получены следующие результаты:

AB	903
Ab	101
aB	98
ab	898
	2000

Объясните расщепление. Если гены сцеплены, то в каком состоянии – в «притяжении» или в «отталкивании» они находятся в гетерозиготе?

7. Гены А, В и С локализованы в одной хромосоме в указанном порядке. Процент перекреста между А и В – 8, между В и С – 25. Определите расстояние между

генами А и С.

8. Установлено, что гены сцеплены и расположены в хромосоме в следующем порядке: А-В-С. Расстояние между генами А и В – 8 % кроссинговера, между генами В и С – 10 %. Коэффициент совпадения равен 0,6. Каково ожидаемое соотношение фенотипов в потомстве анализирующего скрещивания (в%) растения с генотипом АВсаbС?

9. Проведите генетический анализ результатов двух анализирующих скрещиваний тригетерозигот АaВbСс:

	Скрещивание №1	Скрещивание №2
ABC	126	-
ABc	10	164
AbC	64	2
Abc	62	1
aBC	68	2
aBc	70	3
abC	14	172
abc	<u>133</u>	<u>-</u>
	547	344

10. Проведите генетический анализ результатов двух анализирующих скрещиваний тригетерозигот АaВbСс:

	Скрещивание №1	Скрещивание №2
ABC	42	-
ABc	38	3
AbC	41	46
Abc	39	68
aBC	43	72
aBc	37	48
abC	41	2
abc	<u>40</u>	<u>1</u>
	321	240

11. В анализирующем скрещивании от дигетерозиготы АaВb получено:

AB	243
Ab	762
aB	758
ab	<u>237</u>
	2000

Каков характер наследования генов? Если они сцеплены, то каково расстояние между ними? Определите генотип гетерозиготы. Какое соотношение фенотипов бы-

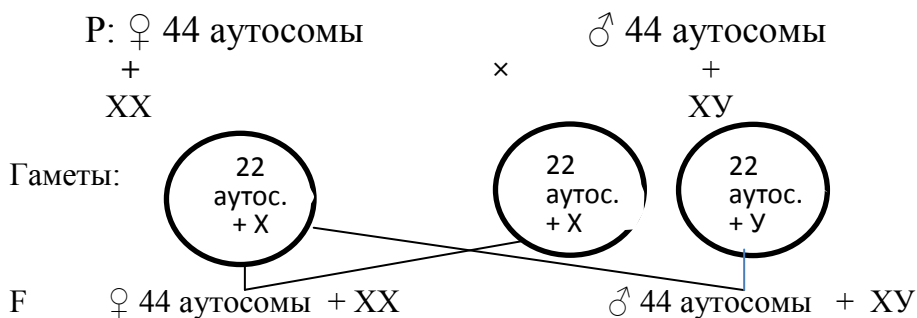
ло бы в потомстве анализирующего скрещивания, если бы исходно скрещивали гомозиготные особи AABV и aabb?

Тема 10. НАСЛЕДОВАНИЕ ПРИЗНАКОВ, СЦЕПЛЕННЫХ С ПОЛОМ

Цель занятия: изучить особенности наследования признаков, сцепленных с полом.

Рассмотрим хромосомное определение пола у человека, млекопитающих, дрозофилы.

У человека в кариотипе 46 хромосом из них 44 аутосомы и две половые хромосомы (у женского пола половые хромосомы X и X, у мужского - X и Y).



Соотношение полов 1 : 1

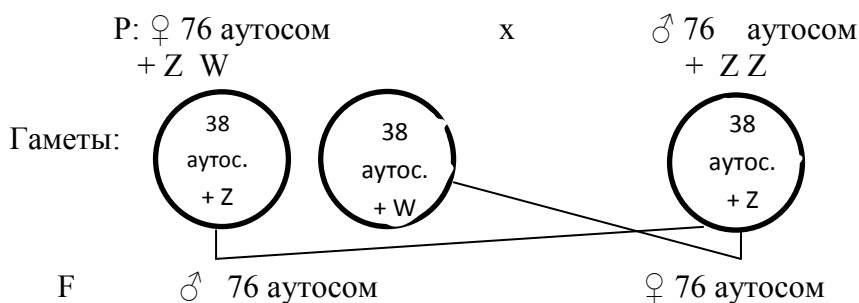
При слиянии гамет во время оплодотворения определяется пол будущего организма: если яйцеклетка (несет только X-хромосому) сольется со сперматозоидом несущим X-хромосому будет развиваться женский пол; если же со сперматозоидом, несущим Y- хромосому, разовьется мужской пол. Поэтому говорят, что у человека и млекопитающих женский пол является гомогаметным. т.к. все яйцеклетки несут только X - хромосому, мужской гетерогаметным, 50 % сперматозоидов несут X-хромосому и 50% - Y- хромосому.

Пол, образующий один тип гамет, называется **гомогаметным**. Пол, образующий два типа гамет, называется **гетерогаметным**.

Определение пола у птиц

У птиц гетерогаметным является женский пол, у них в кариотипе разные половые хромосомы Z и W. Мужской пол птиц гомогаметный так как в кариотипе две одинаковые половые хромосомы z z.

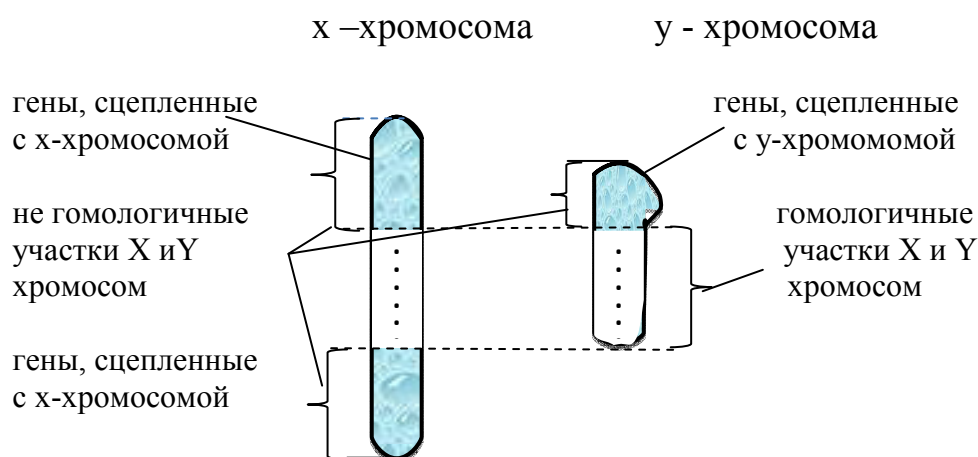
У кур в кариотипе 78 хромосом из них 76 аутосом и две половые.



+ Z Z

+ Z W

Гены, находящиеся в негомологичных участках половых хромосом, называются **сцепленными с полом**, а признаки, контролируемые этими генами, **сцепленными**.



Если ген сцеплен с X-хромосомой, то у млекопитающих и у человека он передается от отца только дочерям, а от матери в равной степени распределяется между дочерьми и сыновьями. Если ген сцеплен с X-хромосомой и является рецессивным, то у женского пола он может проявляться только в гомозиготном состоянии. У мужского пола второй X-хромосомы нет, поэтому такой ген проявляется всегда.

В случае если ген сцеплен с Y-хромосомой, он может передаваться из поколения в поколение только мужскому полу.

ЗАДАЧИ:

1. В лаборатории скрещивали красноглазых мух дрозофил с красноглазыми самцами. В потомстве оказалось 69 красноглазых и белоглазых самцов и 71 красноглазая самка.

Напишите генотипы родителей и потомства, если известно что красный цвет глаз доминирует над белым, а гены цвета глаз находятся в X-хромосоме.

2. У некоторых пород кур гены, определяющие белый цвет и полосатую окраску оперения, сцеплены с X - хромосомой. Полосатость доминирует над белой сплошной окраской. Гетерогаметный пол у кур женский.

2.1. На птицеферме белых кур скрестили с полосатыми петухами и получили полосатое оперение как у петухов, так и у кур.

Затем полученных от первого скрещивания особей скрестили между собой и получили 594 полосатых петуха и 607 полосатых и белых кур.

Определите генотипы родителей и потомков первого и второго поколений.

2.2. У юннатов имеются полосатые петухи и белые куры. От их скрещивания получено 40 полосатых петухов и кур и 38 белых петухов и кур.

Определите генотипы родителей и потомства.

3. Селекционеры в некоторых случаях могут определить пол только что вылупившихся цыплят.

При каких генотипах родительских форм возможно это сделать, если известно, что гены золотистого (коричневого) и серебристого (белого) оперения расположены в X - хромосоме и ген золотистого оперения рецессивен по отношению к серебристому?

4. Известно, что "трехцветные" кошки - всегда самки. Это обусловлено тем, что гены черного и рыжего цвета шерсти аллельны и находятся в X хромосоме, но ни один из них не доминирует, а при сочетании рыжего и черного цвета формируются "трехцветные" особи.

4.1. Какова вероятность получения в потомстве трехцветных котят от скрещивания трехцветной кошки с черным котом?

4.2. Какое потомство можно ожидать от скрещивания черного кота с рыжей кошкой?

5. Классическая гемофилия передается как рецессивный, сцепленный с X - хромосомой, признак.

5.1. Мужчина, больной гемофилией, женится на женщине не имеющей этого заболевания. У них рождаются нормальные дочери и сыновья, которые вступают в брак с не страдающими гемофилией лицами.

Обнаружится ли у внуков вновь гемофилия, и какова вероятность появления больных в семьях дочерей и сыновей?

5.2. Мужчина, больной гемофилией, вступает в брак с нормальной женщиной, отец которой, страдал гемофилией.

Определите вероятность рождения в этой семье здоровых детей?

6. У человека ген, вызывающий одну из форм цветовой слепоты, или дальтонизм, локализован в X - хромосоме. Состояние болезни вызывается рецессивным геном, состояние здоровья - доминантным.

6.1. Девушка, имеющая нормальное зрение, отец которой обладал цветовой слепотой, выходит замуж за нормального мужчину, отец которого тоже страдал цветовой слепотой.

Какое зрение ожидать у детей от этого брака?

6.2. Нормальные в отношении зрения мужчина и женщина имеют:

а) сына, страдающего дальтонизмом и имеющего нормальную дочь;

б) нормальную дочь, имеющую одного нормального сына и одного сына дальтоника;

в) еще нормальную дочь, имеющую пятерых нормальных сыновей.

Каковы генотипы родителей, детей и внуков?

7. У человека классическая гемофилия наследуется как сцепленный с X - хромосомой рецессивный признак. Альбинизм обусловлен аутосомным рецессивным геном. У одной супружеской пары, нормальной по этим признакам, родился сын с обеими аномалиями.

Какова вероятность того, что у второго сына в этой семье проявятся также обе аномалии одновременно?

8. Мужчина, страдающий дальтонизмом и глухотой, женился на женщине, нормальной по зрению и хорошо слышащей. У них родились сын глухой и дальтоник и дочь дальтоник, но с хорошим слухом.

Определите вероятность рождения в этой семье дочери с обеими аномалиями,

если известно, что дальтонизм и глухота передаются как рецессивные признаки, но дальтонизм сцеплен с X - хромосомой, а глухота - аутосомный признак.

9. У кур доминантный ген полосатого оперения B и его рецессивный аллель черного оперения b локализованы в X - хромосомах.

Доминантные гены S темной пигментации кожи, R - розовидного гребня и их рецессивные аллели - гены белой кожи s , листовидного гребня r - локализованы в аутосомах негомологичных хромосом. Аутосомный ген C в гетерозиготе Cc проявляет коротконогость, cc - нормальную длину ног, а гомозиготы CC летальны.

Определить генотипы и фенотипы потомства от следующих скрещиваний:

- а) курица с полосатым оперением х петух с черным оперением;
- б) курица с черным оперением х петух, гомозиготный по полосатому оперению;
- г) курица с полосатым оперением, белокожая х петух черного оперения и с темной пигментацией кожи, но гетерозиготный;
- д) курица с черным оперением, листовидным гребнем, коротконогая х петух полосатого оперения, но гетерозиготный с розовидным гребнем (гомозиготный);
- е) курица с черным оперением, листовидным гребнем, коротконогая х петух с полосатым оперением (гетерозиготный) розовидным гребнем (гетерозиготный) и нормальной длиной ног.

10. У индеек бронзовой породы наблюдается наследственный признак своеобразного дрожания ("вибрирование"), обусловленный рецессивным геном v , сцепленным с полом. Жизнеспособность такой птицы нормальная. При спаривании нормальной индейки с "вибрирующим" индюком получено 36 потомков. Все потомки женского пола аномальны, а потомки мужского пола нормальны. Каковы их генотипы? Как объяснить это явление?

11. У канареек ген зеленого оперения B и его аллель коричневого оперения b расположены в половой X - хромосоме. Наличие хохолка (C) и его отсутствие (c) определяется аутосомно. Какое будет потомство в F_1 и F_2 от скрещивания гомозиготной коричневой самки без хохолка с зеленым хохлатым самцом?

12. При спаривании коричневой хохлатой самки с самцом с зеленым оперением без хохолка получено потомство в соотношении: 2 зеленые хохлатые самки, 1 коричневый хохлатый самец и 1 коричневый без хохолка самец. Определить генотипы родителей.

13. У пчел половых хромосом нет. Пчелиная матка, гетерозиготная по доминантному признаку, была осеменена спермой трутня обладающего тем же признаком. Каким по полу и фенотипу будет потомство?

14. У кого и почему раньше проявится рецессивная мутация: у трутня или у самок пчел (матки и рабочие пчелы)?

15. У пчел имеется рецессивная белая окраска глаз (нормальная темная доминирует). Каким по полу и фенотипу будет F_1 F_2 от спаривания нормальной матки с белоглазым трутнем?

16. Какие типы зигот образуются у млекопитающих в случае нерасхождения X-хромосом у матери?

17. Если определенный признак у данного вида животных всегда передается потомству от матери, но никогда не передается от отца, то какой можно сделать вывод о его наследовании?

Тема 11. МОЛЕКУЛЯРНЫЕ ОСНОВЫ НАСЛЕДСТВЕННОСТИ

Цель занятия: Изучить строение нуклеиновых кислот и их авторепродукции методом графического моделирования.

Молекулярная генетика исследует процессы, связанные с наследственностью на молекулярном уровне. Ген - это участок молекулы дезоксирибонуклеиновой кислоты (ДНК), ответственный за формирование какого-то определенного признака. Однако ген не превращается в признак, и от гена до признака существует серия промежуточных реакций. Ген определяет лишь первичную структуру белка, т.е. последовательность расположения в нем аминокислот, от которой и зависит его функция. Белки-ферменты управляют биохимическими реакциями в организме. Для каждой реакции существует свой специфический белок-фермент. Ход биохимических реакций обуславливает проявление того или иного признака.

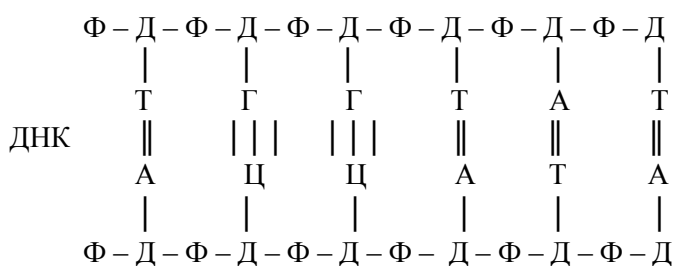
Таким образом, функцию гена можно представить следующей схемой:

ген → белок-фермент → биохимическая реакция → признак.

В молекулярной генетике наиболее изучена первая ступень этой цепи - каким образом ген управляет формированием специфических белков.

Молекула ДНК - полимер, состоящий из двух цепочек нуклеотидов. Каждый нуклеотид состоит из азотистого основания, моносахарида дезоксирибозы (Д) и остатка фосфорной кислоты (Ф). Азотистые основания в ДНК бывают четырех типов: аденин (А), тимин (Т), гуанин (Г) и цитозин (Ц). Вдоль нити ДНК азотистые основания прочно связаны между собой через моносахарид и остаток фосфорной кислоты, между цепочками - через водород.

В общей схеме ДНК своим строением напоминает лестницу.

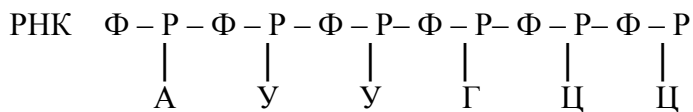


Между двумя цепочками азотистые основания располагаются строго закономерно: аденин всегда против тимина, гуанин - против цитозина. Аденин комплементарен тимину, гуанин - цитозину. Расположение азотистых оснований вдоль цепочки может быть разнообразным, но всегда строго специфичным для конкретного случая. Именно в этом чередовании азотистых оснований закодирована последовательность аминокислот в белковой молекуле, а вместе с тем и специфичность самого белка.

Место положений каждой аминокислоты в белковой цепи предопределяется триплетами, т.е. тремя рядом стоящими азотистыми основаниями в одной из цепочек ДНК. Расшифровка же кода осуществляется с помощью рибонуклеиновых кислот (РНК).

Весь процесс расшифровки начинается с синтеза информационной РНК (и РНК). Информационная РНК - полимер, состоящий из одной цепочки нуклеотидов.

В состав ее нуклеотидов тоже входят азотистые основания, моносахарид рибоза (Р) и остаток фосфорной кислоты (Ф). Азотистых оснований в РНК также четыре: аденин, урацил (У), гуанин, цитозин.



Синтез иРНК происходит на участке одной из цепочек ДНК, который называется структурным геном. Построение ее осуществляется таким образом, что комплементарные азотистые основания РНК встают против соответствующих азотистых оснований ДНК, при этом урацил комплементарен аденину. Например, если цепь ДНК, кодирующая какой-то полипептид, начинается:

аденин - цитозин - цитозин - аденин - тимин - аденин, то и иРНК будет построена соответственно:

урацил – гуанин – гуанин – урацил – аденин – урацил.

ДНК АЦЦ - АТА

иРНК УГГ - УАУ

иРНК копирует чередование азотистых оснований ДНК, но как бы в негативном изображении. Этот процесс называется *транскрипцией*. Естественно, что иРНК копирует не только чередование азотистых оснований ДНК, но и триплетов. Триплеты иРНК называются кодонами.

Следующий этап расшифровки кода происходит в рибосомах, где осуществляется составление полипептидной цепи из аминокислот, т.е. сам синтез белка. В этом процессе участвуют транспортные РНК (тРНК), функция которых состоит в том, чтобы доставить аминокислоты к рибосоме и найти им свое место в полипептидной цепи, предусмотренное кодом.

В схеме строения тРНК важно выделить два активных центра (рис.1). Один "свободный" триплет, или антикодон, второй - место прикрепления аминокислоты. Для каждой аминокислоты существует своя тРНК. Основные отличия между тРНК состоят в строении антикодона: у каждой аминокислоты тРНК имеет свой свободный триплет.

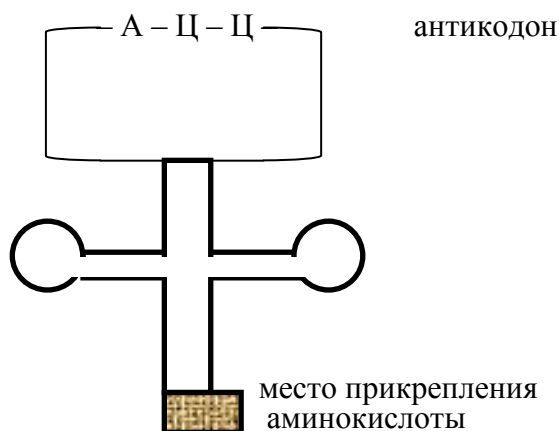


Рис.1. Схема строения тРНК

Сборка полипептидной цепи происходит по следующей схеме. Синтезированная в ядре иРНК выходит в цитоплазму и присоединяется своим концом к рибосоме,

С места контакта начинается отсчет триплетов. К рибосоме же подходят тРНК. Первая из них будет та, антикодон которой комплементарен первому кодону иРНК. Например: В одной из цепочек молекулы ДНК нуклеотиды расположены в следующей последовательности:

ДНК Т А Т – А Г Г – Ц А Г – А Ц Т
 тогда
 и РНК А У А – У Ц Ц – Г У Ц – У Г Д

белок: изолейцин – серин – валин – прекращение синтеза

Считая точку отсчета триплетов слева, первой подойдет т РНК с аминокислотой изолейцин. Аминокислота остается на рибосоме, а иРНК продвигается вперед на один триплет. Следующая тРНК подойдет к рибосоме с аминокислотой серин. Изолейцин соединяется с серином, а иРНК продвигается еще на один триплет. И так далее, до конца нити иРНК. Расстановка аминокислот в цепочку соответственно триплетам называется **трансляцией**.

Последовательность нуклеотидов в кодонах и-РНК для разных аминокислот

Первый нуклеотид кодона	Второй нуклеотид кодона				Третий нуклеотид кодона
	У	Ц	А	Г	
У	УУУ } фенил-аланин (фен) УУЦ } лейцин (лей) УУА } УУГ }	УЦУ } серин (сер) УЦЦ } УЦА } УЦГ }	УАУ } тирозин (тир) УАЦ } УАА } УАГ }	УГУ } цистеин (цис) УГЦ } УГА } УГГ }	У Ц А Г
Ц	ЦУУ } лейцин (лей) ЦУЦ } ЦУА } ЦУГ }	ЦЦУ } пролин (про) ЦЦЦ } ЦЦА } ЦЦГ }	ЦАУ } гистидин (гис) ЦАЦ } ЦАА } ЦАГ }	ЦЦУ } аргинин (арг) ЦЦЦ } ЦЦА } ЦЦГ }	У Ц А Г
А	АУУ } изолейцин (илей) АУЦ } АУА } АУГ }	АЦУ } треонин (тре) АЦЦ } АЦА } АЦГ }	ААУ } аспарагин (аспн) ААЦ } ААА } ААГ }	АГУ } серин (сер) АГЦ } АГА } АГГ }	У Ц А Г
Г	ГУУ } валин (вал) ГУЦ } ГУА } ГУГ }	ГЦУ } аланин (ала) ГЦЦ } ГЦА } ГЦГ }	ГАУ } аспарагиновая кислота (асп) ГАЦ } ГАА } ГАГ }	ГГУ } глицин (гли) ГГЦ } ГГА } ГГГ }	У Ц А Г

ЗАДАЧИ:

1. Полипептид состоит из следующих аминокислот валин - аланин - глицин - лизин - триптофан - валин - серин - глутаминовая кислота.

Определите структуру участка ДНК, кодирующего указанный полипептид.

2. Полипептид состоит из следующих аминокислот аланин - цистеин - гистидин - лейцин - метионин - тирозин.

Определите структуру участка ДНК кодирующего эту полипептидную цепь.

3. Аспарагин - глицин - фенилаланин - пролин - треонин -аминокислоты, последовательно составляющие полипептид.

Определите структуру участка ДНК кодирующего данный полипептид.

4. Первые 10 аминокислот в цепи В инсулина: фенилаланин - валин - аспарагиновая кислота - глутамин - гистидин - лейцин -цистеин - глицин - серин - гистидин.

Определите структуру участка ДНК кодирующего эту часть цепи инсулина.

5. Начальный участок цепи А инсулина представлен следующими пятью аминокислотами: глицин - изолейцин - валин - глутамин - глутамин.

Определите структуру участка ДНК кодирующего эту часть цепи инсулина.

6. Одна из цепей глюкозагона имеет следующий порядок аминокислот: треонин - серин - аспарагин - тирозин - серин - лизин - тирозин.

Определите строение участка ДНК кодирующего эту часть цепи глюкозагона.

7. Участок молекулы ДНК кодирующей часть полипептида, имеет следующее строение А Ц Ц А Т А Г Т Ц Ц А А Г Г А.

Определите последовательность аминокислот в полипептиде.

8. Как изменится структура белка, если из кодирующего его участка ДНК – ААТ АЦА ТТТ ААА ГТЦ удалить пятый и тринадцатый слева нуклеотиды?

9. Какие изменения произойдут в строении белка, если в кодирующем его участке ДНК – ТАА ЦАА АГА АЦА ААА между 10 -м и 11 – м нуклеотидами включить цитозин, между 12-м и 13-м- тимин, а на конце прибавить еще один аденин?

10. Участок молекулы, кодирующий полипептид имеет в норме следующий порядок азотистых оснований :ААА АЦЦ ААА АТА ЦТТ АТА ЦАА. Во время репликации третий слева аденин выпал из цепи.

Определите структуру полипептидной цепи, кодируемой данным участком ДНК, в норме и после выпадения аденина.

11. Начальный участок цепи В инсулина представлен следующими 10 аминокислотами: фенилаланин - валин -аспарагиновая кислота - глутамин - гистидин - лейцин - цистеин - глицин - серин - гистидин.

Определите количественные соотношения аденин + тимин и гуанин + цитозин в цепи ДНК, кодирующей этот участок инсулина.

12. В одной из цепочек молекулы ДНК нуклеотиды расположены в следующей последовательности:

1. ТАТ АГЦ АГА ЦТ

2.ГЦГ ТТА ЦЦГ ТЦТ

3.АГЦ ЦГА ТГЦ ТАГ

Какова последовательность нуклеотидов в другой цепочке этой же молекулы ДНК?

2. Участок гена имеет следующие нуклеотиды:

- а) ААА ГАА АГА ТАА АТТ
- б) ТАЦ ЦАА АЦА ЦГГ АТА
- в) ГТТ ГГГ ЦТТ АЦЦ ЦЦА
- г) ТГТ ТТА ЦТА ГЦА АЦТ

Определить соответствующие нуклеотиды в и - РНК. Какие аминокислоты кодируются ими?

13. Составить модель транскрипции и трансляции если полинуклеотидная цепь ДНК, комплементарная матричной цепи ДНК, содержит следующую последовательность азотистых оснований:

- а) ААА ТТА ГГЦ ЦГА
- б) АГЦ ГЦТ ТГА ГЦТ
- в) АГЦГЦАЦЦГТАГ

14. Структурные гены ДНК содержат следующие нуклеотиды:

- а) ГЦА ТГЦ ГТЦ ЦАГ
- б) ТАГ АГТ ТЦЦ АГА ГАГ

Произошла замена пятого нуклеотида Г на Т. Изобразить первичную структуру участка полипептидной цепи, контролируемой исходным и мутантными генами. Какое число аминокислотных остатков изменилось при мутации?

Тема 12. ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ПРОЦЕССЫ В ПОПУЛЯЦИЯХ

Цель занятия: ознакомиться с закономерностями наследования в популяциях, используя параметры популяционной генетики.

ЗАДАЧИ:

1. Имеется популяция, находящаяся в равновесии и состоящая из особей с доминантным и рецессивным признаками. Доминирование полное. Рецессивные особи в ней составляют 4 %. Какая часть особей с доминантным геном может быть гетерозиготной?

2. Что произойдет с популяцией, подчиняющейся правилу Харди-Вайнберга, через 5 поколений, если исходное соотношение генотипов было :25 % AA; 25% aa и 50 % Aa?

3. В одной панмиктической популяции аллель *b* встречается с частотой 0,1, а в другой 0,9. В какой популяции больше гетерозигот?

4. Какова частота гена *A* (при условии применимости правила Харди-Вайнберга), если его единственный аллель *a* гомозиготен в таком проценте от всей популяции: 49? 4? 25? 36?

5. У мясного скота шортгорнской породы особи генотипа *RR* имеют красную

масть, Rr – чалую и rr – белую. В этой породе в Англии было зарегистрировано 4169 красных животных, 3780 чалых и 756 белых. Определите частоты аллелей R и r , выразив их в процентах.

6. В стаде имеется следующее соотношение генотипов: 30% с доминантным признаком, 40% гетерозигот и 30% с рецессивным. Как будет меняться это соотношение в F_1 и F_2 и F_3 , если осуществляется выбраковка всех рецессивов? Всех доминантов? Если бракуется 50% всех рецессивов?

7. Если количество коричневых животных в стаде каракульских ягнят равно 1% и если популяция находится в равновесии, то каков будет процент гетерозигот среди черных?

8. Две популяции имеют следующие генотипические частоты: одна – 0,44 AA ; 0,32 Aa и 0,24 aa ; вторая – 0,14 AA ; 0,53 Aa и 0,33 aa . Каким будет соотношение в следующем поколении при панмиксии? При отборе рецессивов?

9. В одном из районов Сибири за один охотничий сезон было отловлено 13655 красных (рыжих) лисиц (их генотип aa), 678 сиводушек (Aa) и 12 черных (AA). Какова концентрация генов? Каковы относительные частоты генотипов?

10. Среди беспородных собак г. Владивостока было обнаружено 245 коротконогих животных и 24 с нормальными ногами. Коротконогость (A) у собак доминирует над нормальной длиной ног. Определите частоту аллелей и всех генотипов в данной популяции.

11. В панмиктической популяции крупного рогатого скота от спаривания черных животных с красными (рецессив) на 158 черных телят рождалось 107 красных. Определите генную и генотипическую структуру популяции.

12. У зеркального карпа отсутствие чешуек (голость) обусловлено доминантным геном N , который в гомозиготном состоянии (NN) имеет летальное действие. Чешуйчатость (нормальное состояние) контролируется его рецессивным аллелем n .

При ловле рыбы в сеть попало 428 чешуйчатых и 32 голых карпа. Определить частоты генов чешуйчатости и голости всех возможных генотипов. Какова вероятность появления карпов с генотипом NN в следующем поколении?

13. На кролиководческой ферме среди молодняка кроликов породы шиншилла из 5437 особей 19 оказалось альбиносами. Определить частоты альбинизма и шиншилла по формуле Харди-Вайнберга. Какова частота гетерозигот, допуская, что популяция находится в состоянии равновесия?

14. У овец каракульской породы выявлено два типа карбоангидразы: $Ca^{F/S} = 15$, $Ca^{S/S} = 282$. Определите частоту аллелей F и S . Отвечает ли наблюдаемое соотношение генотипов ожидаемым?

15. У овец каракульской породы выявлены следующие типы амилазы: $Am^{A/C} = 9$, $Am^{A/B} = 15$, $Am^{B/B} = 27$, $Am^{B/C} = 66$, $Am^{C/C} = 30$. Определите частоты аллелей амилазы A , B , C .

16. Контрактура мышц у крупного рогатого скота обусловлена аутосомным рецессивным геном s . У родившихся телят ноги согнуты в суставах и лишены подвижности. В одном стаде из 376 родившихся за год телят у 9 была контрактура мышц.

Определить частоту заболевания контрактурой мышц в стаде. Определить частоты рецессивного гена s , вызывающего болезнь, и его аллеля S . Какова частота

гетерозиготных телят Cc ? Какова вероятность появления больных телят в следующем поколении при свободном спаривании животных фенотипически здоровых?

17. У крупного рогатого скота мозговая грыжа обусловлена аутосомным рецессивным геном c . Доминантный аллель C контролирует нормальное развитие черепного свода. В стаде швицкого скота среди рожденных 520 телят оказалось два теленка с мозговой грыжей. Особи с такой аномалией нежизнеспособны. Определить частоту мозговой грыжи в стаде. Какова частота доминантных, рецессивных аллелей и гетерозигот Cc – носителей гена мозговой грыжи? Какова вероятность появления телят с мозговой грыжей в следующем поколении при случайном спаривании фенотипически здоровых животных?

18. У крупного рогатого скота карликовость (ахондроплазия) обусловлена рецессивным аутосомным геном a , его аллель A контролирует нормальное развитие организма. В стаде черно-пестрого скота из 820 телят 2 были карликовыми. Каковы частоты гена карликовости и гетерозиготных животных в стаде? Какова частота карликовых телят ожидается при случайном спаривании фенотипически здоровых животных?

19. У крупного рогатого скота заболевание порфирией обусловлено аутосомным рецессивным геном p , вызывающим накопление в тканях пигмента порфирина. Животные имеют повышенную светочувствительность и розовую окраску зубов. В стаде с поголовьем 1120 животным шортгорнской породы выявлено 40 животных с порфирией.

Какова частота заболеванием порфирией? Каковы частоты рецессивного и доминантного генов? Какова частота гетерозигот? Какова вероятность появления больных животных в следующем поколении при условии свободного спаривания фенотипически здоровых животных?

20. У крупного рогатого скота и свиней врожденная водянка головного мозга (гидроцефалия) аутосомный признак, обусловленный геном g . Его аллель G обуславливает нормальное развитие.

В стаде айрширской породы среди 1000 новорожденных телят было 4 мертворожденных от водянки головного мозга. Какова частота этого заболевания? Каковы частоты рецессивного и доминантного генов с гидроцефалией в следующем поколении при условии случайного спаривания фенотипически здоровых животных?

Тема 13. ГРУППЫ КРОВИ И ПОЛИМОРФИЗМ БЕЛКОВ

До настоящего времени не разработана единая международная номенклатура антигенов и генетических систем групп крови. Генетические системы групп крови и антигены обозначают буквами латинского алфавита, часто с подстрочными индексами (A_1 , A_2 , и т.д.) и значками (A' , B' , B'').

Каждый антиген обычно обусловлен одним аллелем. В сложных системах, например в В- системе крупного рогатого скота, 10 антигенов наследуются единым комплексом (детерминируются одним аллелем) – B^{BGK} , $B^{BGKO_2I_1A'}$, и т.д.

Для обозначения локусов полиморфных белков и ферментов используют 2-3 буквы их латинского названия (трансферрин – Tf; амилаза Am) соответственно генотип животных записывают как $Tf^A Tf^A$ (гомозигота) и $Tf^A Tf^D$ (гетерозигота).

Системы группы крови крупного рогатого скота

Системы	Антигены	Число антигенов
A	A, A ₁ , A ₂ , D, D ₁ , D ₂ , H, Z	8
B	B, B ₁ , B ₂ , G, G ₁ , G ₂ , G ₃ , I, I ₁ , I ₂ , K, O, O _x , O ₁ , O ₂ , O ₃ , O ₄ , P, P ₁ , P ₂ , Q, Q ₁ , Q ₂ , T, T ₁ , T ₂ , Y ₁ , Y ₂ , A', A' ₁ , A' ₂ , B', D', E', E' ₁ , E' ₂ , E' ₃ , E' ₄ , F', F' ₁ , G', G' ₁ , I', I' ₁ , I' ₂ , J', J' ₁ , J' ₂ , K', O', P', P' ₁ , P' ₂ , Q', Y', B'', G'', G'' ₁ , G'' ₂ , I''	>60
C	C ₁ , C ₂ , C ₃ , E, P, R ₁ , R ₂ , W, W ₁ , W ₂ , X, X ₀ , X ₁ , X ₂ , C', C' ₁ , C' ₂ , L'	>20
S	S, S ₁ , S ₂ , U, U ₁ , U ₂ , H', U, U ₁ , U ₂ , H', S'', U''	13
F - V	FF, F, F ₁ , F ₂ , V, V ₁ , V ₂	7
J	J, J ₁ , J ₂	3
L	L	1
M	M, M ₁ , M ₂ , M''	4
Z	ZZ, Z, Z ₁ , Z ₂	4
R' - S'	R', R' ₁ , S'	3
T'	T	1
N'	N	1
U	U	1

Системы групп крови овец

Системы	Антигены	Число антигенов
A	A _a , A _b	2
B	B _a , B _b , B _c , B _d , B _e , B _g , B _h , B _f	9
C	C _a , C _b	2
D	D _a	1
J	I, i	2
M	M _a , M _b , M _c	3
R	R, o	2
X-Z	X, Z	2
con	con ^A , con ^a	2
F ₃₀	F ₃₀ ⁻	1
F ₄₁	F ₄₁ ⁻	1
Hel	Hel, hel	2
Y	Y, y	2
T	T, t	2
V	V, v	2
P _v	P _v , p _v	2

Системы групп крови свиней

Системы	Антигены	Число антигенов
A	A _c , A _p , A _o , A _w , A _x	5
B	B _a , B _b	2
C	C _a , C _b , C _c	3
D	D _a , D _b	2
E	E _a , E _b , E _d , E _e , E _f , E _g , E _h , E _i , E _j , E _k , E _l , E _m , E _n , E _o , E _p , E _r	16
F	F _a , F _b , F _c , F _d	4
G	G _a , G _b , G _c	3
H	H _a , H _b , H _c , H _d , H _e	5
I	I _a , I _b	2
J	J _a , J _b	2
K	K _a , K _b , K _c , K _d , K _f	6
L	L _a , L _b , L _c , L _d , L _f , L _g , L _h , L _i , L _j , L _e , L _k , L _l , L _m	13
M	M _a , M _b , M _c , M _d , M _e , M _f , M _g , M _h , M _i , M _j , M _k	11
N	N _a , N _b , N _c	3
O	O _a , O _b	2
P	P _a , P _o	2
Q	Q _a , Q _o	2

ЗАДАЧИ:

1. Установить происхождение поросят 3, 4, 5, 6, на основании антигенного состава крови родителей и потомков.

Животные	Антигены							
	Ka	Eb	Ec	Aa	Ea	Gb	Fa	Ef
Свиноматка	-	-	+	-	+	-	+	-
Хряк 1	-	-	+	-	-	-	-	+
Хряк 2	-	-	+	+	-	+	-	-
Поросята: 3	-	-	+	+	+	+	-	-
4	-	-	+	+	+	+	+	-
5	-	-	+	+	+	+	+	-
6	-	-	+	-	+	-	+	+

2. Установить происхождение поросят 232, 239, 237, 118, 124, 171 на основании антигенного состава крови родителей и потомков.

Животные	Антигены																		
	Ac	Ba	Bb	Da	Db	Ea	Eb	Eg	Ed	Ee	Ef	Ga	Gb	Fa	Fb	Ka	Kb	La	Lb
Свиноматка 278	-	+	+	-	+	-	-	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+
Свиноматка 1004	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	-	+	+	+
Хряк 247	-	-	+	-	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	+	+	-	-	+
Поросята: 232	-	+	+	-	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	+	+	+
239	-	+	+	-	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+
237	-	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	+	-	+
118	+	+	+	-	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+
124	+	+	+	-	+	+	-	+	+	+	+	+	+	-	+	-	-	+	+
171	+	+	+	-	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	-	+	+

3. Установите истинное происхождение телят по генотипу родителей

Животные	Система групп крови		
	B	C	F - V
Бык 1752	I ₂ Y ₂ O ₁ TE ₃ F'K'	W/C ₂ W	F/V
Бык 1793	GE ₃ F'O ₁ /O ₁ Y ₂ D'G'	WX ₁ /C ₂ R ₂	F/F
Корова 2577	DGKE ₃ 'O/O'	W/C ₁	F/V
Телка 6317	I ₂ Y ₂ /DGKE ₃ 'O'	C ₂ W/W	F/V
Корова 2594	- / -	WX ₁ /R ₂	F/V
Телка 6355	- / O ₁ Y ₂ D'G'	C ₂ R ₂ /WX ₁	F/V

4. Корова первый раз и повторно была осеменена спермой разных быков. Необходимо уточнить отца, родившегося теленка.

Животные	Системы групп крови							
	A	B	C	F/V	J	L	M	S
Бык 1	A ₁ /DH	B/I ₂ A'E ₃ 'G'G''	C ₁ E/X ₁	F/F	-/-	-/-	-/-	H'/-
Бык 2	A ₁ H/DH	A ₁ 'B'/BO ₁	W/RWX ₂	F/V	-/-	-/-	M/-	-/-
Мать	A ₂ /D	B/BO ₂ A ₂ '	EWL/R ₂	F/V	-/-	-/-	-/-	-/-
Теленок	DH/D	A ₁ 'B'/BO ₂ A ₂ '	W/R ₂	V/V	-/-	-/-	-/-	-/-

5. На станцию искусственного осеменения поступили быки, записанные в родословной как потомки быка-производителя Бурана 708 от разных матерей. В результате иммуногенетической проверки подлинности происхождения было установлено, что они имеют следующие генотипы в системе групп крови В и F – V :

Буран 708 – GOY/BOK' E ₂ I'	F/F
Потомки: № 1948 – O ₁ Y ₂ D'G'/GOY	F/V
№1955 - I'G'/BQK'E ₂ I	F/F
№2106 - G'E ₃ 'F'O/OI ₂ D'G'	F/V
№2092 - GOY/O ₁ T'E ₃ 'F'K'	V/V
№2019 - BQK'E ₂ I'/O ₁ I ₂ D'G'	F/F
№5711 - G'E ₃ 'F'O/O ₁ I ₂ D'G'	F/F
№1001 - BOK'E ₂ I'/I'G'	F/V

Определить для каких быков происхождение от быка Бурана 708 исключается.

6. По фенотипам групп крови установить достоверность происхождения телят от быка Стевена 54488.

Животные	Система групп крови									Заключение о происхождении
	A	B	C	F-V	I	L	M	S	Z	
О. Стевен 54488	A ₂	O ₃ Y ₂ D'E'	C ₂ R ₁ WW ₂	F/F	-	-	-	S ₁ S ₂	Z	
М. Роза 529	A ₂ D	BG ₃ O ₃ Y ₂ E'E ₄ ' B	C ₁ C ₂ WW ₂ X ₂	F/F	-	-	M	S ₁ S ₂	-	
Телка № 172	D	G ₃ O ₃ Y ₂ D'E'E ₄ '	C ₁ C ₂ R ₁ WW ₂ X ₂	F/F	-	-	M	S ₁ S ₂	-	
М. Финка 215	A ₂ D	PY ₂ 'E'E ₄ 'J'	C ₁ C ₂ EW ₂ X ₂	F/V	-	-	-	-	-	
Бычок №164	D	O ₃ Y ₂ D'E'E ₄ '	C ₁ C ₂ EW ₂	F/F	-	-	-	S ₂	-	
М. Душка 501	D	BG ₃ O ₃ Y ₂	C ₁ C ₂ EW ₂	F/V	-	-	-	-	-	
Телка №1116	A ₂ D	BG ₃ O ₃ Y ₂ E'E ₄ 'P'	C ₂ EX ₂	F/F	-	-	-	S ₂	-	
М. Люстра 936	A ₂ D	BG ₃ O ₃ Y ₂	R ₁ WW ₂	F/F	-	L	M	S ₁ S ₂ U ₁	-	
Телка №981	A ₂ D	BG ₃ O ₃ Y ₂ E'E ₄ '	C ₁ C ₂ ER ₁ WW ₂	F/F	-	-	M	S ₂	-	
М. Верная 970	D	BO ₃ Y ₂ E'E ₄ 'P'	C ₁ C ₂ EW ₂ X ₂	F/F	-	L	M	-	-	
Бычок №159	A ₂ D	BO ₃ Y ₂ D'E'E ₄ 'P'	C ₁ C ₂ ER ₁ WW ₂	F/F	-	-	M	S ₂	Z	

7. По приведенному набору антигенов определить, являются ли приведенные пары животных однойцевыми двойнями, двумяцевыми двойнями или двумяцевыми двойнями с мозаицизмом эритроцитов.

№ пар	Двойня		Антигены																					
	пол	инд №	A ₂	D	B	G ₃	I ₁	I ₂	O ₁	O ₃	Q	Y ₂	B'	D'	E'	E ₄ '	I'	O'	P'	C ₁	C ₂	E	R ₁	W
1.	Б.	1213	44	44	44	44	-	-	-	44	-	44	-	44	-	-	-	44	-	-	44	-	-	44
	Г	1216	44	44	44	44	-	-	-	44	-	44	-	-	-	-	-	44	-	44	44	-	-	44
2.	Б.	1489	44	44	-	-	-	-	44	-	44	-	+2	-	-	+1	-	-	44	-	-	-	-	-
	Г	1490	44	44	-	-	-	-	44	-	44	-	44	-	-	44	-	-	44	-	-	-	-	-
3.	Б.	749	44	-	-	-	44	+4	-	44	-	-	-	-	-	-	4	-	-	-	-	44	44	-
	Б	750	44	-	-	-	44	+4	-	4	-	-	-	-	-	-	4	-	-	-	-	44	44	-

8. Определить достоверность происхождения потомства по локусам полиморфных белков:

Животные	Локусы полиморфных белков		
	Hb	Tf	Am
Отец 2085	A/B	A/D	B/C
Мать 1674	A/A	A/D	B/B
Потомок 5193	A/B	D/D	B/B
Мать 2772	A/A	D/A	B/B
Потомок 8004	A/A	D/A	B/B
Отец 33968	A/A	D/D	B/B
Мать 1513	A/D	D/D	B/B
Потомок 17020	A/A	D/D	B/B
Отец 429	A/A	A/A	B/C
Мать 1763	A/A	A/A	B/C
Потомок 959	A/A	A/A	C/C

9. По формуле Майяла, Линдстрема (1966)* определить генетическое сходство симментальского и сычевского скота по группам крови (В-система). По каким антигенам наблюдается сходство и различие:

$$* r = \frac{\sum x \cdot y}{\sqrt{\sum x^2 \cdot \sum y^2}}, \text{ где } x \text{ и } y \text{ – частоты одних и тех же генов у двух сравниваемых со-}$$

вокупностей животных, расположенных в параллельные ряды (индекс сходства – коэффициент корреляции по генным частотам, определенный по формуле).

Антиген	Хозяйства		Антиген	Хозяйства	
	«Еланский»	«Сычевка»		«Еланский»	«Сычевка»
В	26	34	В'	3	6
G ₂	23	25	D'	7	9
К	11	2	E ₃ '	54	43
I ₁	15	55	E ₂ '	55	14
I ₂	15	55	G'	11	35
О	52	39	Г'	31	42
P ₁	2	49	J ₂ '	30	2
P ₂	4	1	К'	17	10
Q	49	23	О'	24	11
T ₁	12	6	Р'	4	3
T ₂	12	20	У'	1	6
	11	46	В''	-	5
A ₂	35	22			

10. Определить генетическое сходство по типам трансферрина и амилазы между симментальской породой, сычевской и бестужевской породами (по формуле Майяла, Линдстрема):

Порода	n	Трансферрин			Амилаза	
		А	Д	Е	В	С
Симментальская	1369	0,14	0,85	0,01	0,94	0,06
Сычевская	2150	0,27	0,70	0,03	0,84	0,16
Бестужевская	1077	0,49	0,47	0,01	0,85	0,15

Литература

1. Бакай, А.В. Практикум по генетике / И.И. Кочиш, Г.Г. Скрипниченко, и др. – М.: КолосС, 2010. – 301 с.
2. Ватти, К.В. Руководство к практическим занятиям по генетике / К.В. Ватти, М.М. Тихомирова. - М.: «Просвещение», 1972. – 179 с.
3. Глазер, В.М. Задачи по современной генетике / В.М. Глазер, А.И. Ким, Н.Н. Орлова, И.Г. Удина, Ю.П. Алтухов. - М.: Университет Книжный дом, 2005. – 224 с.
4. Зиновьева, Н.А. Оценка вклада различных популяций в генетическое разнообразие свиней корня крупной белой породы / Н.А. Зиновьева, В.Р. Харзинова, Е.И. Сизарева, Е.А. Гладырь, О.В. Костюхина, Л.Н. Гамко, Е.В. Овсеенко // Сельскохозяйственная биология. – 2012. - № 6.
5. Ларцева, С.Х. Практикум по генетике / С.Х. Ларцева, М.К. Муксинов. - М.: Агропромиздат, 1985.- 288 с.
6. Лисицин, А.П. Сборник задач по генетике с методическими указаниями к ним для студентов зооинженерного факультета / А.П. Лисицин, Г.П. Антипов, В.В. Лавровский. - М., 1989.
7. Лэсли, Дж. Ф. Генетические основы селекции сельскохозяйственных животных (перевод с англ.) / Лэсли, Дж. Ф. - М.: Колос, 1982.
8. Меркурьева Е. К. и др. Генетика / Е.К. Меркурьева и др. - М.: Агропромиздат, 1991. - 446с.
9. Овсеенко, Ю.В. Словарь физиологических терминов: учебно-методическое пособие / Ю.В. Овсеенко, Е.В. Овсеенко. - Брянск: Брянская ГСХА, 2014.

СОДЕРЖАНИЕ

Введение.....	3
Тема 1. Основы вариационной статистики.....	4
1. Расчет основных статистических параметров в большой выборочной совокупности.....	7
1.1. Построение вариационного ряда.....	7
1.2. Вычисление средней арифметической величины \bar{X}	11
1.3. Показатели, характеризующие разнообразие признаков (lim , σ , C_v).....	13
Тема 2. Ошибки репрезентативности и их применение в биометрии.....	16
2.1. Определение доверительных границ параметров генеральной совокупности.....	17
2.2. Определение доверительных выборочных параметров.....	19
2.3. Определение достоверности разности.....	19
Тема 3. Статистические взаимосвязи и способы вычисления их величин.....	22
3.1. Корреляционная связь и вычисление коэффициента фенотипической корреляции.....	22
Тема 4. Расчет основных статистических параметров в малой выборке.....	27
Тема 5. Закономерности наследования признаков при половом размножении... ..	27
5.1. Моногибридное скрещивание.....	30
5.2. Ди- и полигибридное скрещивание.....	34
Тема 6. Множественный аллеломорфизм.....	39
Тема 7. Взаимодействие неаллельных генов.....	40
Тема 8. Летальное и полулетальное действие генов.....	43
Тема 9. Сцепленное наследование и кроссинговер.....	45
Тема 10. Наследование признаков сцепленных с полом.....	48
Тема 11. Молекулярные основы наследственности.....	52
Тема 12. Генетические процессы в популяциях.....	56
Тема 13. Группы крови и полиморфизм белков.....	58
Литература.....	65

..

Учебное издание

Елена Викторовна Овсеенко

Наталья Петровна Базутко

ВЕТЕРИНАРНАЯ ГЕНЕТИКА

Компьютерный набор Н.П. Базутко

Редактор И.П. Павлютина

Подписано к печати 16.11.2015 г. Формат 60×84 1/16.
Бумага печатная. Усл. п. л. 3,89. Тираж 25 экз. Изд. № 3837.

Издательство ФГБОУ ВО «Брянский ГАУ».
243365 Брянская область, Выгоничский район, с. Кокино,
Брянский ГАУ